

## Supplementary File 1: Genes over-represented in pancreatic CD45<sup>+</sup> cells of NOD mice treated with I-BET151

2 wk treatment				12 hr treatment				24 hr treatment				48 hr treatment			
Probe ID	Gene Symbol	FC IBET/DM SO	P value	Probe ID	Gene Symbol	FC IBET/DM SO	P value	Probe ID	Gene Symbol	FC IBET/DM SO	P value	Probe ID	Gene Symbol	FC IBET/DM SO	P value
10566934	Lyve1	8.27	0.321	10349157	Serpina2	6.192	0.051	10499861	S100a9	15.636	0.097	10521667	Bst1	7.226	0.028
10368343	Arg1	5.126	0.005	10492964	Cd5l	4.972	0.006	10435497	Stfa2l1	14.978	0.199	10492964	Cd5l	6.619	0.047
10393936	Cbr2	5.048	0.198	10474700	Thbs1	4.842	0.056	10493831	S100a8	14.5	0.102	10541614	Clec4d	5.867	0.068
10566026	Folr2	4.831	0.202	10578264	Msr1	3.707	0.036	10523156	Cxcl2	12.399	0.340	10451953	Lrg1	5.72	0.038
10422728	Dab2	4.226	0.017	10569020	Ifitm6	3.621	0.013	10347291	Cxcr2	9.996	0.136	10349157	Serpina2	5.673	0.014
10552494	Klk9	3.636	0.049	10528207	Cd36	3.546	0.034	10583100	Mmp8	8.724	0.403	10474700	Thbs1	5.606	0.066
10523717	Spp1	3.551	0.005	10451953	Lrg1	3.417	0.128	10458382	Cd14	8.504	0.095	10363224	Fabp7	5.422	0.009
10523134	Pf4	3.365	0.142	10547657	C3ar1	3.348	0.074	10451953	Lrg1	8.428	0.013	10392464	Fam20a	5.258	0.063
10492964	Cd5l	3.333	0.323	10387855	Alox5	3.221	0.006	10563597	Saa3	7.984	0.040	10547153	Alox5	5.244	0.026
10365769	Hal	3.305	0.397	10422728	Dab2	3.019	0.114	10478633	Mmp9	7.694	0.085	10466130	Ms4a8a	5.174	0.005
10385583	Ltc4s	3.302	0.168	10518751	Car6	3	0.010	10547664	Clec4e	6.815	0.013	10578264	Msr1	5.117	0.047
10563597	Saa3	3.194	0.082	10532711	Cmk1r1	2.959	0.022	10568165	Zg16	6.555	0.153	10563597	Saa3	5.044	0.064
10547657	C3ar1	2.94	0.153	10534927	Pilra	2.958	0.092	10497463	Cpb1	6.318	0.096	10358339	Cfh	5.038	0.054
10560242	C5ar1	2.883	0.005	10446282	Emr1	2.829	0.091	10436100	Retnlg	6.198	0.275	10475890	Mertk	4.852	0.056
10389222	Ccl6	2.827	0.066	10389214	Ccl9	2.824	0.127	10501020	Chi3l3	6.05	0.104	10514275	Ptplad2	4.826	0.003
10521667	Bst1	2.823	0.058	10523134	Pf4	2.761	0.128	10501544	Amy2a5	5.994	0.067	10400844	Pygl	4.763	0.026
10537410	Tbxas1	2.808	0.155	10547664	Clec4e	2.746	0.005	10517573	Cela3b	5.982	0.148	10489463	Slpi	4.684	0.029
10495054	Rhoc	2.771	0.073	10581266	Tppp3	2.737	0.049	10438730	Sst	5.967	0.153	10376950	Pmp22	4.547	0.072
10389214	Ccl9	2.753	0.044	10393936	Cbr2	2.679	0.018	10448124	Fpr1	5.888	0.388	10586118	Calml4	4.487	0.005
10418506	Stab1	2.595	0.225	10372988	Slc16a7	2.673	0.057	10389222	Ccl6	5.793	0.031	10471721	Ptgs1	4.417	0.060
10547664	Clec4e	2.51	0.083	10570982	Fgfr1	2.647	0.157	10501500	Amy2a5	5.785	0.520	10536494	Cav2	4.366	0.068
10578264	Msr1	2.441	0.135	10408693	F13a1	2.613	0.143	10551531	Sycn	5.721	0.028	10517791	Padi4	4.336	0.020
10363224	Fabp7	2.432	0.381	10521667	Bst1	2.601	0.094	10397882	Chga	5.648	0.024	10499854	S100a1	4.257	0.017
10517517	C1qa	2.363	0.437	10560242	C5ar1	2.577	0.017	10481278	Cel	5.615	0.103	10446282	Emr1	4.237	0.026
10548385	Olr1	2.252	0.069	10508651	Sdc3	2.568	0.065	10521667	Bst1	5.5	0.118	10440491	App	4.138	0.070
10534493	Ccl24	2.248	0.229	10389222	Ccl6	2.563	0.030	10501494	Amy2b	5.337	0.025	10543239	Tcfec	4.119	0.093
10517513	C1qc	2.229	0.416	10499189	Fcrls	2.557	0.091	10539200	Reg1	5.308	0.242	10534927	Pilra	4.058	0.029
10419854	Slc7a8	2.215	0.054	10517791	Padi4	2.552	0.051	10581355	Ctrl	5.031	0.152	10488382	Cd93	4.049	0.094
10508651	Sdc3	2.154	0.287	10572130	Lpl	2.528	0.019	10560242	C5ar1	5.001	0.087	10469457	Plxdc2	4.015	0.024
10517508	C1qb	2.15	0.227	10367400	Mmp19	2.521	0.114	10518050	Cela2a	4.953	0.376	10500204	Ecm1	3.992	0.027
				10601385	Tlr13	2.518	0.032	10541614	Clec4d	4.901	0.009	10392808	Cd300ld	3.975	0.100
				10596148	Trf	2.51	0.143	10460947	Pygm	4.87	0.287	10532711	Cmk1r1	3.89	0.052
				10489878	Ptgs1	2.50	0.062	10537014	Cpa2	4.86	0.027	10388254	Aspa	3.86	0.027
				10392560	Abca9	2.49	0.021	10466659	Gda	4.84	0.117	10528207	Cd36	3.81	0.094
				10481772	Garnl3	2.48	0.055	10396831	Arg2	4.74	0.124	10438017	Fgd4	3.80	0.101
				10365769	Hal	2.45	0.032	10349968	Chi3l1	4.67	0.496	10360040	Fcgr3	3.79	0.025
				10458382	Cd14	2.45	0.012	10363224	Fabp7	4.27	0.293	10569014	Ifitm2	3.78	0.022
				10547153	Alox5	2.44	0.090	10449467	C1ps	4.21	0.133	10570982	Fgfr1	3.72	0.041
				10452648	Emilin2	2.43	0.070	10537627	Prss2	4.14	0.313	10355214	Idh1	3.71	0.083
				10557862	Itgam	2.39	0.120	10474700	Thbs1	4.12	0.252	10358421	Rgs18	3.67	0.001
				10607868	Tlr8	2.34	0.028	10600852	30028010l	4.06	0.232	10351206	Selp	3.67	0.070
				10570291	F10	2.33	0.155	10537051	Cpa1	4.03	0.219	10422164	Ednrb	3.66	0.042
				10517513	C1qc	2.30	0.083	10601385	Tlr13	4.02	0.175	10349968	Chi3l1	3.64	0.002
				10387536	Cd68	2.29	0.076	10349157	Serpina2	4.01	0.023	10436456	Pros1	3.64	0.040
				10534935	Pilrb1	2.28	0.095	10562709	Cd33	4.00	0.007	10605848	Vsig4	3.57	0.048
				10355403	Fn1	2.27	0.122	10466606	Anxa1	3.97	0.418	10395414	Tmem195	3.57	0.029

10436456	Pros1	2.27	0.121	10508074	Csf3r	3.92	0.380	10456904	Pstpip2	3.55	0.060
10534493	Ccl24	2.26	0.101	10389214	Ccl9	3.80	0.075	10601385	Tlr13	3.54	0.021
10603860	Cfp	2.22	0.043	10445774	30306N03l	3.69	0.381	10606355	Cysltr1	3.53	0.089
10445953	Emr4	2.19	0.012	10523717	Spp1	3.63	0.290	10534940	Pilrb2	3.50	0.001
10537410	Tbxas1	2.18	0.017	10557853	30325K18l	3.54	0.468	10363070	Gp49a	3.47	0.092
10489569	Pltp	2.17	0.115	10358339	Cfh	3.38	0.417	10446928	Ltbp1	3.45	0.072
10489246	Mafb	2.17	0.215	10443463	Cdkn1a	3.37	0.291	10593449	Layn	3.45	0.025
10489463	Slpi	2.17	0.012	10408693	F13a1	3.33	0.094	10547689	Vmn2r26	3.42	0.089
10603706	Med4	2.16	0.072	10581882	Ctrb1	3.32	0.097	10452648	Emilin2	3.39	0.092
10482448	Zeb2	2.16	0.094	10537650	Prss1	3.22	0.497	10570291	F10	3.34	0.045
10467258	Myof	2.15	0.102	10527638	Alox5ap	3.21	0.207	10562709	Cd33	3.24	0.073
10466210	Ms4a6d	2.15	0.134	10424683	Ly6g	3.20	0.179	10478048	Lbp	3.23	0.034
10541564	Clec4a3	2.14	0.055	10514275	Ptplad2	3.14	0.198	10578123	Rbpms	3.22	0.076
10466606	Anxa1	2.14	0.006	10419563	Rnase1	3.10	0.070	10495596	Frrs1	3.21	0.049
10488382	Cd93	2.13	0.017	10432652	Cela1	3.08	0.099	10431697	Abcd2	3.21	0.026
10392464	Fam20a	2.13	0.002	10440491	App	3.07	0.150	10349166	ierpinb10-p	3.18	0.022
10471721	Ptgs1	2.13	0.041	10578264	Msr1	3.07	0.363	10534935	Pilrb1	3.15	0.004
10517568	Gm13011	2.13	0.037	10436095	Retnla	3.04	0.154	10453857	Gata6	3.14	0.090
10349661	30435G22l	2.10	0.084	10351509	Fcgr4	3.03	0.083	10476648	Dstn	3.12	0.014
10398859	Adssl1	2.09	0.128	10400844	Pygl	2.99	0.414	10425852	Parvb	3.09	0.076
10393559	Timp2	2.09	0.008	10494369	Sf3b4	2.97	0.256	10561008	Ceacam1	3.08	0.056
10569707	Myadm	2.08	0.047	10349166	ierpinb10-p	2.95	0.302	10481772	Garnl3	3.07	0.094
10545182	Gm459	2.07	0.068	10488382	Cd93	2.89	0.081	10526783	BC055004	3.05	0.095
10606355	Cysltr1	2.07	0.020	10435501	Stfa1	2.89	0.398	10436590	10055G20l	3.03	0.096
10541555	Clec4a1	2.06	0.079	10431697	Abcd2	2.87	0.069	10358879	Npl	3.03	0.114
10349968	Chi3l1	2.05	0.084	10387536	Cd68	2.87	0.060	10452815	Xdh	3.01	0.096
10534940	Pilrb2	2.05	0.131	10605848	Vsig4	2.81	0.068	10375051	Hba-a1	3.00	0.151
10576784	Cd209a	2.04	0.019	10520862	Fosl2	2.79	0.463	10482448	Zeb2	2.98	0.051
10422822	Lifr	2.03	0.058	10537410	Tbxas1	2.74	0.314	10577641	10011O10l	2.98	0.001
10385504	Gm5431	2.02	0.103	10442596	Sepx1	2.73	0.207	10571444	Slc7a2	2.97	0.012
				10439296	Stfa2	2.73	0.047	10565962	P2ry2	2.96	0.062
				10360040	Fcgr3	2.72	0.372	10466210	Ms4a6d	2.95	0.104
				10472350	Gca	2.68	0.334	10449284	Dusp1	2.94	0.104
				10598004	Ccr1	2.67	0.393	10527638	Alox5ap	2.91	0.063
				10602221	Mir680-2	2.64	0.102	10402268	Lgmn	2.91	0.079
				10548375	Clec7a	2.64	0.427	10603708	Cask	2.91	0.035
				10464560	Aldh3b1	2.64	0.011	10560919	Atp1a3	2.90	0.112
				10361995	Fam54a	2.62	0.116	10383756	Ifitm2	2.90	0.032
				10503709	30062J21f	2.60	0.122	10376201	Gpx3	2.90	0.032
				10482030	Stom	2.59	0.560	10358434	Pla2g4a	2.86	0.115
				10547153	Alox5	2.58	0.114	10367822	Rab32	2.84	0.029
				10373223	Lrp1	2.58	0.356	10548375	Clec7a	2.84	0.119
				10597279	Ccr12	2.56	0.224	10553299	Ifitm2	2.83	0.046
				10409278	Nfil3	2.55	0.345	10558345	Dock1	2.81	0.093
				10351206	Selp	2.55	0.111	10476401	Plcb1	2.80	0.117
				10561008	Ceacam1	2.53	0.112	10570280	F7	2.78	0.114
				10495054	Rhoc	2.53	0.173	10576911	Efnb2	2.78	0.078
				10523359	Cxcl13	2.51	0.090	10412562	Flnb	2.78	0.096
				10607868	Tlr8	2.50	0.105	10439895	Alcam	2.74	0.080
				10376513	Nlrp3	2.49	0.377	10487238	Hdc	2.74	0.069
				10368277	Rps12	2.49	0.357	10489878	Ptgis	2.73	0.045
				10502224	Sgms2	2.48	0.402	10532133	Evi5	2.72	0.014
				10547657	C3ar1	2.46	0.458	10383799	Tcn2	2.71	0.029
				10346960	Ccnyl1	2.45	0.037	10392560	Abca9	2.71	0.019
				10417144	Timm8a2	2.44	0.050	10572897	Hmox1	2.71	0.144
				10574166	Cpne2	2.43	0.055	10374453	Glul	2.71	0.067
				10372652	Lyz1	2.43	0.160	10367816	30014G24l	2.71	0.053

10542470	Mgst1	2.42	0.226	10567355	Gprc5b	2.71	0.132
10475946	Zc3h6	2.42	0.279	10476759	Rin2	2.70	0.026
10595033	Scg3	2.39	0.120	10482920	Cd302	2.70	0.035
10410124	Ctsl	2.38	0.182	10453747	Colec12	2.70	0.138
10457733	B4galt6	2.38	0.160	10358038	Rnpep	2.68	0.121
10344966	Ly96	2.36	0.066	10405870	Vmn2r122	2.67	0.087
10425066	Csf2rb	2.35	0.142	10367805	30014G24f	2.67	0.086
10370573	Theg	2.34	0.175	10350753	Glul	2.67	0.048
10481518	Ptges	2.33	0.319	10514590	Dock7	2.67	0.134
10452316	C3	2.33	0.284	10569017	Ifitm3	2.65	0.049
10356932	D1Ert622e	2.32	0.353	10358091	Nav1	2.65	0.097
10452485	Rab31	2.32	0.206	10501762	Snx7	2.65	0.110
10438769	Cldn1	2.31	0.357	10414537	Rnase4	2.64	0.114
10439292	BC100530	2.30	0.171	10458663	Dpysl3	2.64	0.110
10576807	Cd209d	2.29	0.277	10404965	Rnf144b	2.62	0.154
10468893	Csf2ra	2.29	0.172	10448676	Slc9a3r2	2.62	0.110
10528207	Cd36	2.29	0.269	10607868	Tlr8	2.62	0.076
10405587	Tgfbi	2.27	0.297	10489569	Pltp	2.60	0.095
10583312	Taf1d	2.26	0.285	10600852	30028010f	2.60	0.017
10553598	Cyfp1	2.26	0.311	10436892	Itsn1	2.59	0.104
10392845	Cd300lf	2.25	0.203	10435704	Cd80	2.59	0.044
10508734	Ptafr	2.24	0.221	10351509	Fcgr4	2.58	0.040
10568873	Adam8	2.24	0.202	10567995	Nupr1	2.58	0.123
10458828	Cdo1	2.23	0.494	10406934	Etv1	2.57	0.080
10378568	Mir22	2.23	0.369	10351400	Fam78b	2.57	0.038
10388938	Wsb1	2.23	0.014	10410204	Nlrp4f	2.57	0.091
10603708	Cask	2.22	0.225	10537785	Tas2r143	2.56	0.111
10531794	Wdfy3	2.22	0.075	10542470	Mgst1	2.55	0.000
10354168	Tbc1d8	2.22	0.490	10468893	Csf2ra	2.54	0.019
10456904	Pstpip2	2.21	0.130	10555027	Gab2	2.53	0.089
10487823	Siglec1	2.21	0.371	10543017	Pdk4	2.53	0.048
10361748	Fbxo30	2.21	0.425	10487588	Il1a	2.53	0.020
10578361	Asah1	2.21	0.235	10579054	30467E23f	2.52	0.151
10482448	Zeb2	2.21	0.072	10549929	Vmn2r33	2.51	0.141
10560919	Atp1a3	2.20	0.146	10421269	Sorbs3	2.51	0.040
10368486	Rnf146	2.20	0.254	10353669	31408C20f	2.49	0.096
10542221	Mir680-1	2.19	0.082	10573939	Lpcat2	2.49	0.073
10604832	Mir505	2.19	0.282	10528183	Speer4d	2.49	0.153
10497548	Fndc3b	2.18	0.330	10344966	Ly96	2.48	0.002
10392560	Abca9	2.18	0.181	10405587	Tgfbi	2.48	0.093
10518059	Ctrc	2.17	0.254	10404996	Ninj1	2.47	0.114
10367822	Rab32	2.17	0.053	10411633	Naip1	2.47	0.013
10392815	AF251705	2.16	0.144	10528177	Speer4e	2.44	0.146
10438017	Fgd4	2.16	0.164	10379727	Gm11428	2.43	0.004
10476759	Rin2	2.16	0.206	10445293	Pla2g7	2.42	0.011
10541587	Clec4a2	2.16	0.058	10387536	Cd68	2.39	0.090
10492964	Cd5l	2.15	0.277	10569877	10033B17f	2.37	0.005
10544084	Zc3hav1l	2.15	0.272	10560886	Cd177	2.36	0.093
10456071	Csf1r	2.13	0.228	10548552	Klra2	2.36	0.024
10399710	Rsad2	2.13	0.338	10599174	Il13ra1	2.36	0.061
10495596	Frrs1	2.13	0.514	10464560	Aldh3b1	2.35	0.137
10551696	Rasgrp4	2.13	0.063	10443494	Pi16	2.35	0.033
10475890	Mertk	2.12	0.050	10549921	Vmn2r43	2.34	0.173
10404702	Gcnt2	2.12	0.169	10456071	Csf1r	2.34	0.164
10582985	Casp1	2.10	0.075	10435948	Ccdc80	2.34	0.018
10410211	Zfp640	2.09	0.514	10406334	Mctp1	2.34	0.170
10519811	Speer8-ps1	2.09	0.415	10436596	10055G20f	2.34	0.035

10446229	Tnfsf9	2.09	0.132	10578361	Asah1	2.33	0.080
10378857	Coro6	2.09	0.321	10577388	30467E23f	2.33	0.171
10430931	Nfam1	2.08	0.090	10395457	Etv1	2.33	0.052
10578123	Rbpms	2.07	0.328	10517513	C1qc	2.33	0.019
10541555	Clec4a1	2.07	0.247	10565712	Acer3	2.33	0.088
10367436	Cd63	2.06	0.295	10381445	Tmem106a	2.32	0.102
10579925	Gab1	2.06	0.025	10511446	Asph	2.32	0.004
10520388	Rbm33	2.06	0.421	10475532	Sqrdl	2.32	0.023
10517614	Fam43b	2.06	0.234	10355403	Fn1	2.31	0.065
10570291	F10	2.06	0.170	10387568	BC096441	2.31	0.074
10505064	Tmem38b	2.06	0.088	10551883	Tyrobp	2.31	0.061
10367400	Mmp19	2.05	0.098	10551696	Rasgrp4	2.29	0.161
10581336	Gfod2	2.04	0.341	10381588	Grn	2.29	0.074
10593497	Zc3h12c	2.04	0.358	10553598	Cytip1	2.28	0.141
10493820	S100a6	2.04	0.145	10531796	Wdfy3	2.28	0.158
10452815	Xdh	2.03	0.439	10470446	Rxra	2.27	0.166
10555027	Gab2	2.03	0.256	10448124	Fpr1	2.27	0.066
10355403	Fn1	2.03	0.399	10552140	Cebpa	2.27	0.150
10445241	Tnfrsf21	2.02	0.323	10404496	Nqo2	2.26	0.009
10404187	Tdp2	2.02	0.142	10574471	Cmtm3	2.26	0.153
10392796	Cd300lb	2.02	0.110	10501229	Gstm1	2.25	0.052
10537785	Tas2r143	2.02	0.062	10358476	Prg4	2.25	0.125
10464084	Tcf7l2	2.01	0.147	10464084	Tcf7l2	2.25	0.066
10411611	Naip5	2.01	0.417	10488378	Thbd	2.24	0.175
10397346	Fos	2.01	0.202	10546891	Camk1	2.23	0.078
10442219	Zfp52	2.00	0.209	10432682	Krt80	2.23	0.038
10383799	Tcn2	2.00	0.109	10602865	Map3k15	2.22	0.033
				10404053	Hist1h2bc	2.22	0.159
				10505270	Slc31a2	2.21	0.004
				10566350	30023O14l	2.20	0.131
				10480842	Tmem141	2.20	0.004
				10563314	Dhdh	2.20	0.004
				10492682	Fam198b	2.19	0.041
				10438340	Comt1	2.19	0.043
				10529485	Htra3	2.19	0.045
				10559446	Lilrb3	2.19	0.043
				10594825	Aqp9	2.19	0.093
				10461587	Ms4a4a	2.18	0.124
				10495285	Sort1	2.18	0.076
				10588899	Gpx1	2.18	0.118
				10550509	Pglyrp1	2.17	0.004
				10372988	Slc16a7	2.17	0.016
				10564818	Anpep	2.16	0.096
				10603860	Cfp	2.16	0.104
				10468762	30506M07l	2.16	0.128
				10445753	Trem3	2.16	0.187
				10574023	Mt2	2.16	0.117
				10473809	Sfpi1	2.15	0.087
				10523128	Pbbp	2.14	0.042
				10363231	Smpdl3a	2.14	0.019
				10605370	Mpp1	2.14	0.035
				10604187	Lamp2	2.14	0.038
				10497265	Fabp4	2.13	0.151
				10517508	C1qb	2.13	0.021
				10419744	Slc7a7	2.13	0.167
				10411611	Naip5	2.12	0.067
				10534102	Gusb	2.12	0.166

10432540	Lima1	2.12	0.133
10415844	Ctsb	2.11	0.123
10517517	C1qa	2.11	0.024
10345791	Il1rl1	2.11	0.034
10388591	Cpd	2.11	0.153
10392183	Ern1	2.11	0.113
10530269	Rbm47	2.11	0.188
10532169	Mfsd7a	2.11	0.136
10550208	Gm3994	2.11	0.184
10438639	Dgkg	2.10	0.008
10526947	30050O18l	2.10	0.178
10445953	Emr4	2.10	0.027
10367436	Cd63	2.10	0.192
10567580	Igsf6	2.09	0.028
10409278	Nfil3	2.09	0.052
10382321	Kcnj2	2.09	0.129
10519857	Hgf	2.09	0.001
10528815	J31410I06F	2.08	0.169
10568001	Sult1a1	2.08	0.132
10595404	Fam46a	2.07	0.061
10550770	Vmn1r114	2.07	0.082
10399308	Fkbp1b	2.07	0.067
10500335	Fcgr1	2.07	0.200
10424126	Depdc6	2.07	0.105
10528804	J31410I06F	2.06	0.179
10438468	Cyp2ab1	2.06	0.003
10530059	Sel1l3	2.06	0.095
10559467	Pira1	2.06	0.052
10560730	Vmn1r93	2.06	0.101
10547177	Rassf4	2.06	0.167
10543253	Wnt2	2.05	0.035
10562720	Siglece	2.05	0.177
10568605	Ctbp2	2.05	0.211
10560618	Apoc1	2.05	0.114
10506031	Nfia	2.05	0.017
10348451	Cxcr7	2.04	0.110
10566877	Sbf2	2.04	0.059
10487011	Gatm	2.04	0.146
10444016	Pram1	2.04	0.179
10476395	Bmp2	2.04	0.135
10595402	Fam46a	2.04	0.113
10351347	Creg1	2.04	0.050
10577757	Adam9	2.04	0.183
10348354	Ugt1a9	2.04	0.139
10356968	Pam	2.03	0.188
10550189	Gm10679	2.03	0.179
10421697	30625A04f	2.03	0.073
10497358	Sirpb1b	2.03	0.109
10401829	Gm8300	2.03	0.159
10560740	Gm10670	2.03	0.128
10528821	Gm10220	2.02	0.149
10436500	Gbe1	2.02	0.014
10541555	Clec4a1	2.02	0.126
10560785	vmn1r-ps7f	2.01	0.099
10596148	Trf	2.01	0.073
10578324	Mtus1	2.01	0.105