

a

= splice site A = dimerization residues

K L R G A R V P L P S E I L G P V D Q Y L G V P Y A A P P I G E K R F L P P E 88
 R V R G V R R E L N N E I L G P V V Q F L G V P Y A T P P L G A R R F Q P P E 98

R N A T H F P P V C P Q N I H T A V P E V M L P V W F T A N L D I V A T Y I Q 135
 R N A T T L P P A C P Q N L H G A L P A I M L P V W F T D N L E A A A T Y V Q 145

L N V Y V P T E D G S G A K K Q G E D L A D N D G D E D E D I R D S G A K P V 182
 L N L Y V P T E D G P L T K K R D E A T L N - - - P P D T D I R D S G K K P V 189
184180

S Y M E G T G N M I D G S I L A S Y G N V I V I T L N Y R V G V L G F L S T G D 229
 S Y M E G T G N M F D G S V L A A Y G N V I V A T L N Y R L G V L G F L S T G D 236

L L D Q I Q A L R W V S E N I A F F G G D P R R I T V F G S G I G A S C V S L 276
 L L D Q I Q A L R W L S E N I A H F G G D P E R I T I F G S G A G A S C V N L 283

G L F Q R A I I Q S G S A L S S W A V N Y Q P V K Y T S L L A D K V G C N V L 323
 G L F Q K A I A Q S G T A I S S W S V N Y Q P L K Y T R L L A A K V G C D R E 330

L R Q K S A K E L V E Q D I Q P A R Y H V A F G P V I D G D V I P D D P E I L 370
 L R R K S S R E L V D Q D V Q P A R Y H I A F G P V V D G D V V P D D P E I L 377

I Y D I M L G V N Q G E G L K F V E G V V D P E D G V S G T D F D Y S V S N F V 417
 I Y D M L I G V N Q G E G L K F V E D S A E S E D G V S A S A F D F T V S N F V 424

G K D T L R E T I K F M Y T D W A D R D N P E T R R K T L V A L F T D H Q W V 464
 G K D V L R E T I K F M Y T D W A D R D N G E M R R K T L L A L F T D H Q W V 471

L H A R Y G S P T Y F Y A F Y H H C Q S L M K P A W S D A A H G D E V P Y V F 511
 L H A D Y Q S P V Y F Y T F Y H H C Q A E G R P E W A D A A H G D E L P Y V F 518

D L F P C N F S K N D V M L S A V V M T Y W T N F A K T G D P N K P V P Q D T 558
 D L F P C N F S K N D V M L S A V V M T Y W T N F A K T G D P N Q P V P Q D T 575

I R F E E V A W S K Y N P R D Q L Y L H I G L K P R V R D H Y R A T K V A F W K 605
 I R F E E V V W S K F N S K E K Q Y L H I G L K P R V R D N Y R A N K V A F W L 612

I L H - D M F H Y T S T T K V P P P D T T H S S H I T R R P N G K T W S T K R 651
 I L H T E L F - - - T T T T R L P P Y A T R W P P - - - R T P G P G T S G T R R 653
623

N E N A Q G S W N G D Q D A G P L L V E - - - N P R D Y S T E 687
 P E S - - - - - D I D L G P R A Y D R F P G D S R D Y S T E 686

b

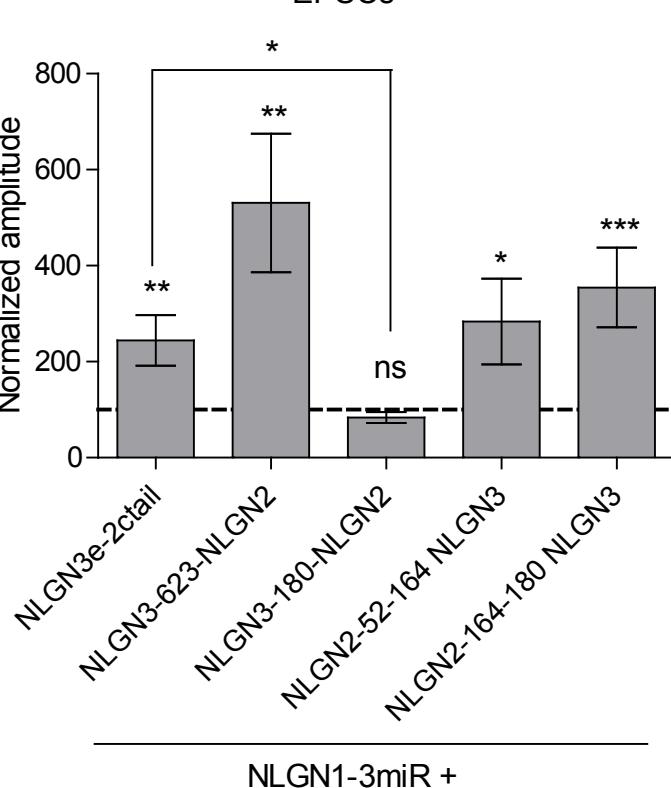


Figure 3 - figure supplement 1