

			10	20	30	40	50	Exon 14	60	70	80	90	100	
													
MASO	Con.	1	CCATGACTGCAACTGTGGAAATGAAGCTATCAACTCCACGAATGTCAGAAATATCTGTCCAGATGGTAGAACGTGTAATGCTAGCAGGTGTGATGAGCAT											
MASO	Con.	2	CCATGACTGCAACTGTGGAAATGAAGCTATCAACTCCACGAATGTCAGAAATATCTGTCCAGATGGTAGAACGTGTAATGCTAGCAGGTGTGATGAGCAT											
MASO	Con.	3	CCATGACTGCAACTGTGGAAAWGAAGCTATCAACTCCACGAATGTCAGAAATATCTGTCCAGATGGTAGAACGTGTAATGCTAGCAGGTGTGATGAGCAT											
MASO	Con.	4	CCAYGACTGCAACTGTGGAAAWGAAGCTATCAACTCCACGAATGTCAGAAATATCTGTCCAGATGGTAGAACGTGTAATGCTAGCAGGTGTGATGAGCAT											
MASO	Sp1.	1	CCATGACTGCAACTGTGGAAAWGAAGCTATCAACTCCACGAATGTCAGAAATATCTGTCCAGATGGTAGAACGTGTAATGCTAGCAG-----											
MASO	Sp1.	2	CCATGACTGCAACTGTGGAAAWGAAGCTATCAACTCCACGAAGTTCAGAAATATCTGTCCAGATGGTAGAACGTGTAATGCTAGCAG-----											
MASO	Sp1.	3	CCATGRCCTGCWRCTGTGGARATGAAGCTATCMMCTCCACGAATGTCARAAATATCTGTCCAGATGGTAGAACGTGTAATGCTAGCAG-----											
			110	120	130	140	150	160	170	180	190	200		
													
MASO	Con.	1	GTCCACYGCAACTACATCCATATGCCAGGGGGAGTTTCGATAACAACCTGCTCCTGTGTTTCCTGGCTACTCCTTCAACGAGGAAGGGCAAYGTGAAAAGGATA											
MASO	Con.	2	GTCCACYGCAACTACATCCATATGCCAGGGGGAGTTTCGATAACAACCTGCTCCTGTGTTTCCTGGCTACTCCTTCAACGAGGAAGGGCAATGTGAAAAGGATA											
MASO	Con.	3	GTCCACYGCAACTACATCCATATGCCAGGGGGAGTTTCGATAACAACCTGCTCCTGTGTTTCCTGGCTACTCCTTCAACGAGGAAGGGCAATGTGAAAAGGATA											
MASO	Con.	4	GTCCACYGCAACTACATCCATATGCCAGGGGGAGTTTCGATAACAACCTGCTCCTGTGTTTCCTGGCTACTCCTTCAACGAGGAAGGGCAAYGTGAAAAGGATA											
MASO	Sp1.	1	-----											
MASO	Sp1.	2	-----											
MASO	Sp1.	3	-----											
			210	220	230	240	250	Exon 15	260	270	280	290	300	
													
MASO	Con.	1	AGACAGYGTATYTGGTGGTGATAGTTGTTGTAGCGGTATTTTGTGTTTACAGCATYGCCTAGTGGGCTTCAGATTTCCTAAAGACCAGSCCAGMCAA											
MASO	Con.	2	AGACAGYGTATYTGGTGGTGATAGTTGTTGTAGCGGTATTTTGTGTTTACAGCATYGCCTAGTGGGCTTCAGATTTCCTAAAGACCAGSCCAGMCAA											
MASO	Con.	3	AGACAGYGTATYTGGTGGTGATAGTTGTTGTAGCGGTATTTCTTTTGTGTTTACAGCATYGCCTAGTGGGCTTCAGATTTCCTAAAGACCAGSCCAGACAA											
MASO	Con.	4	AGACGGTGTATYTGGTGGTGATAGTTGTTGTAGCGGTATTTTGTGTTTACAGCATYGCCTAGTGGGCTTCAGATTTCCTAAAGACCAGSCCAGMCAA											
MASO	Sp1.	1	-----											
MASO	Sp1.	2	-----											
MASO	Sp1.	3	-----											
			310	320	330	340	350	Exon 16	360	370	380	390	Exon 17	400
													
MASO	Con.	1	GATATGCCAGCGGAACCCGTACAGYGAGGATATAAGCCCATCACCACCTACACCTCCTCCAGAACCAAAWAACCTACCCGCATAATGAGCCCTCAGACGTT											
MASO	Con.	2	GATATGCCAGCGGAACCCGTACAGYGAGGATATAAGCCCATCACCACCTACACCTCCTCCAGAACCAAAATACTACCCGCATAATGAGCCCTCAGACGTT											
MASO	Con.	3	GATATGCCAGCGGAACCCGTACAGYG-----AGCCCTCAGACGTT											
MASO	Con.	4	GATATGCCAGYGGAACCCGTACAGYG-----AGCCCTCAGACGTT											
MASO	Sp1.	1	-----AGGATATAAGCCCATCACCACCTACACCTCCTCCAGAACCAAAATACTACCCGCATAATGAGCCCTCAGACGTT											
MASO	Sp1.	2	-----AGGATATAAGCCCATCACCACCTACACCTCCTCCAGAACCAAAATACTACCCGCATAATGAGCCCTCAGACGTT											
MASO	Sp1.	3	-----AGGATATAASCCCATCACCACCTACACCTCCTCCAGAACCAAAATACTACCCGCATAATGAGCCCTCAGACGTT											
			410	420	430	440	450	460	470	480	490	500		
													
MASO	Con.	1	CGGAGGGTSTWCGAACCAATCCCAAGTATYTTAAACAGSCCGGKGAAGGGGGKGGTGCTATAGATTACACCATCGAATCCAACAACGSTACCAACAACG											
MASO	Con.	2	CGGAGGGTSTWCGAACCAATCCCAAGTATYTTAAACAGSCCGGTGAAGGGGGKGGTGCTATAGATTACACCATCGAATCCAACAACGSTACCAACAACG											
MASO	Con.	3	CGGAGGGTSTWCGAACCAATCCCAAGTATYTTAAACAGSCCGGTGAATGGGGTGGTGCTATAGATTACACCATCGAATCCAACAACGSTACCAACAACG											
MASO	Con.	4	CGGAGGGTSTWCGAACCAATCCCAAGTATCCTAAACAGSCCGGTGAAGGGGGKGGTGCTATAGATTACACCATCGAATCCAACAACGSTACCAACAACG											
MASO	Sp1.	1	CGGAGGGTSTWCGAACCAATCCCAAGTATCCTAAACAGGCCGGTGAATGGGGKGGTGCTATAGATTACACCATCGAATCCAACAACGCTACCAACAACG											
MASO	Sp1.	2	CGGAGGGTSTWCGAACCAATCCCAAGTATCCTAAACAGGCCGGTGAATGGGGTGGTGCTATAGATTACACCATCGAATCCAACAACGSTACCAACAACG											
MASO	Sp1.	3	CGGAGGGTCTACSAACCAATCCCAAGTATCCTAAACAGGCCGGTGAATGGGGTGGTGCTATAGATTACACCATCGAATCCAACAACGCTACCAACAACG											