***Supplementary File 2***

Sequences identified in this study. The transcript identifier as per the assembler Trinity nomenclature is noted in the part after the bar (|). Green and yellow highlighted sequences are the two regions targeted for VIGS in Salpiglossis.

>SsASAT1|c40486\_g1

ATGGTTGCCTCAGCACTAGTTTCTTTGTCGAAGAAAATTATCAGACCTTTCTCTCCAACCCCTTTTTCCGAAAGAATTTACAAGCTTTCCTTTATTGATCAATTCAATAGTACACAATATATCCCCTTAGTCTTCTTCTATCCCAAGAACAAGGGAAATATTGAACCAAGTGATATGTGTAAGGTTTTTGAGAATTCCCTCTCAAAAACCTTAGCTGCTTATTACCCTTTTGCAGGAACATTAAGGGACAATATATGTGTTGAGTGTAACGATATAGGTGCTGATTTCTTCAAGGCTCGTTTCGATTGTCCAATGTCTGAAATTCTCAAAAGTCATAATAGAGATGTCAAAGAAAGTGTATATCCCAAGGATATACCATGGAGTGATGCATCAAACAAAAAGTTGGTCACGGTTCAATTTAACCAATTTGATTGTGGAGGAATAGCTCTAAGTGCATGTATATCGCACAAGATTGGAGACTTTTGTACGGTGATTAACTTTTTTCACGATTGGGCTGCAATTGCTCGTGATTCTAATGGAAAAGTATGTCCTCAATTTATTGGATCATCCATCTTCCCACCTACCAATGAACCTGTGAATGAGCCTCCTCGTATAAAATCATGTGTAACGAAAAAGTTAGTTTTTTCAAACCATACATTAAAATCTTTCATTACTGAATCATCATCACTAGAAGTTAAAGAACCAACTCGGGTAGAAATACTCACATCACTTCTTTATAAATGTGGTATGAAAGCGGTATTGGAAAATAATTCTTCTAGTTCTTCAATTTTCAACCCGTCTATTCTGTTCCAAACCGTGAATTTAAGGCCTTTTATACCTTTGCCAGAGAATACTGCTGGAAATTTTAGTTCTTCCCTTTTTGTACCGACATATATTGAAGAAGAAACAAAGTTATCTACATTGGTTAGTCAACTAAGAAAGGGAAAAGAAGAGGTCATTAATAACTTCAAGAAATGTGAAGGGGGTCAAGATTTGGTGTCAGCAACAAAAGGACCATTTCAAGAAATAAGAAAGTTGTACAAGGAGGTGGATTTTCAACTGTATAGGTGTAGTAGTTTGGCTAATTATCCAATATATGATGTAGACTTTGGATGGGGTAGGCCAAAACAAATAACTATGGCGGATTCTCCATTGAGAAATACTTTCTCTTTGTTTGACGACAACACTGGGAATTATATAGAAGCACTGGTAGCTTTGGATGATGAAATTACTATGTCTACGTTTGAGAGAGAGATGGAGCAACTTCTTGAATCTCAACTTCCAACTGAAGAAAATAAAACGGAAGCTAGCGCTCATTGTTGA

>SsASAT2|c49208\_g1

ATGGCTGCTTCAAGGCTTGTTTTGCTTTCCAAAAAGATGATTAAGCCTTCTTCTCCAACTCCAATTTCACATAGAATTCACAAGCTCTCACTTATGGACCAAATGGGAACTCACTCCTACGTTCCGTTTTCGTTCTTTTACCCGAAACAAGACGCTGCAAGCTCGCTCGAACCAACAAAGGTATCTCGAATTCTTGAAAAATCCCTTTCGAAAGTTCTAACATCATATTATCCGTTAGCAGGGCGCGTAAGAGACAATTCATTTGTCGAATGTAATGACATGGGAGTCGATTTCTCTCAAGTCCAAATAGATTGTCCAATGTCCAGAATTTTCGATGTCCCTCGTGCTGAGATGGACAATTTAATATTTCCTAAAGATCCTTGGATCCCGTCTACGGACAGTTTAGTCGTAGCACAACTCAACCATTTCGAATGTGGTGGCGTTGTACTAAGCACATGCATTTCCCACAAGGTTGCCGACGGATACAGTATCGCGAAATTCCTCAGGGACTGGGCTATTGTCGCGCGTGATTCAGGAGAGAAACCATCTCCCCTGTTTAATGGAGCGTCGATACTTAAACCAACCAACAATTCTTCAACTCAAGTGGTTGATCCCTCTTTATATAAAACAACATCGAAAAGGTACCATTTTTCTGCCTCCAAGTTAAAAGCTCTTAAGGCCATGATTTCAGCTGATTCTGGAAACCAGATTGTTCCTACAGCCGTGGAAGCCGTTACTGCGTTGCTATTCAAAAGCATCAATGCACGAAATTTCAAGCCATCGATGTTGATGCAAACGGTAAATCTACGTGGAAAAAACAACGACGCGCTACTTCCAGCAGACTTGGTCGGGAACGTTATTTTTCCTTTCGTCGTATCAGCAGCGAATGAGGACGAGCTGAATTTGCAAAGACTCGTTAGCGAGCTTAGAGAAGGAAAAGAGAAGATACACAATACGCTTGAATGTATTAAATCGGAAGAGTTACTCTGTTCAAAGGTATGTGAAATAGCTAGAGAGATAAACAAGCGAACCACGAGGGATGATTTTTCTATGTACAGATTTACTAGTGTAAGGAAATTCCCTTTGAACGATATCGATTTCGGATGGGGAAGGCCAAGAAGAGCGGATTTTGCTACTGCGCCGATCAATCTGATTTTCTTGATGGATGATCAAAGTGGGGATGGAGTTGAAGTGCTATTAAACTTGGGAGAAGAAGAGATGTCTACATTTCAAAGTAATGATGAGCTTCTTCAATTTGCTTCTCCGAGCTGA

>SsASAT3|c36223\_g2

ATGGGTGGTGTATCAAACCTTGTGTCATCAAGTTGCAAAAAAATAATCAAACCTTACTTTCCTACTCCAACTTCACTTCGTTGTTGCAAGCTCTCTTACCTCGATCAAATAGTCGGTCGCATTTATGCGCCTATGGCCTTTTTTTACCCTAAGCGTTCCGATATTATTAAACCAAGTGTTAATATATCCCAACATCTGCAAAATTCCCTTTCTAAAGTTTTGACACATTATTATCCATATGCGGGAAAGTTGAATGACAATGTCTCTGTTGATTGTAATGACAGTGGAGTAGAGTTCTTCACTACCAAAATTAATTGTCCAATGTCTGAAATCGTCAACAACCCTTATGCTGATAAACAAGATTTAGTCTTTCCCAAAGGAATTGCTTGTACACCTTCATACGAGGGTAGCCTTGCAGTTATTCAACTTAGTCATTTTGATTGCGGAGGATTTGCAATCAGTGCATGTGTGACACACAAAATTGGAGATGCATATACAATAGGCAATTTCATTAACGATTGGGCCACTATAACACGTGACCCAAGTTCAAAAATATTACCCGGTCCTCAATTTAACGGAGCCTCTTTTTTCCCACCTTCAAACGACCTACCAAATGAATCCAATTTTATTGTGCCAAAAAGTAAAGAGTGTTTATCCAGAAGTTTTGATTTCTCCCAATCTAAATTAGCTTCTTTAAAATCCAGGGTCATAAATAGTTTACCAGAGGTAAAAAATCTAACTGACACTGAGATTGTGTCAGCATTTATTTACCAACGAGCCATGGCTACAAAAAATGCTGTTGTAGGCTCAATTCAACCATCGTTACTCATCCAAGCTGCAAACTTGAGGCCACCAGTGCCAAAAAGCACTATGGGAAACATTGGTTCCTTCTTTTCTGTACAAACAACAGAAGAGAATGAAATTGATCTACCAAGTCTTGTTGGTAAACTACGAAAGGCGAAAGAAGAATATCGACAAAAATACAAACATGCTAAAACAAATGAACTTTTACCTATAACAATAGGACTATATAGAGATGCAGATGAATTTTTGGTAAACAATTGTTATGACATTTATAGGTTTAGCAGTATTAAAAAATTTCCCTTGTATGATGTAGACTTTGGATGGGGAAAGCCTGAGAGGGTTAGTCTACCAAGTAATTGTCCAGTTAGAAACTTCTTTGCCTTGGTTGATAATAAAGCTAGGGATGGAATGGAAGTAATAATGTACATGAAGGAACAAGATATTTTGGCACTCGACAAGGATGAAGAGCTCCTAGAGTTTGCTTCTCCAAGCACTTAA

>SsASAT5|c48744\_g1

ATGGAACTAATCTCCCAAGAATTCATCAAACCTGTTTCTCCAACCCCCGATCACCTCAAATTCTATGAGTATTCCATTTTGGATCAGCTCATTGGTCCATCCCTTTACACCCCTGTACTTCTATACTATCCATCTCCACCAGATAATAATAATAACAAAAAACCGGAGGCTATCAATACATCAAGATTAAAACACTTGAAGAAATCCTTGTCACAAATTCTTGCTCACTATTACCCTTTGGCAGGAAGACTTCGAAACGACAACACTGGCGTCGATTGCAACGATGAAGGCGTTCCATTTCTCGAGGCATTTGTGCACAATCATCGCTTGCAAGACATTCTCGATGGAAAAAGAGTAGTTACAGAATCTTTGGTTCCACTCACCAATTACGAGTCAGTATTTCCATCAAACACGTTGCTTCTTGTTCAAGTTACCTTGTTTGAATGTGGAGGAATGGCTGTTGGTATTTCAGCTACACATAAAATATTAGATGCTCGTTCTTTGATCACCTTCTTAACTGATTGGGCAGCATTGACGCGCCAAGACGATCCCAATTTTACACTCACGCAACTTGTCCCCCTTTCCAAAATTATACCACCAGCTAATGGATTGCCACCCTCAATTCCGGTTGAAGGCTTTATCTCAACGGAGCCATGTGTTAGGAATATTTTTGTATTCAGACCTTGTAGCATTGCTGATCTGAAGATTAAGGCAGCCAGCGAGAACATACTGAGGCCTTCGCGCGTTGAAGTAGTGACAAGTACTATCTGGATGTGCCTAATGGAAAACTCCAAAAGGCCGTGTTTGATAACACACATGGTAAACTTGAGGAAGCGAGTTGACCCTCCAATGCATGATCACCATCTTGGAAACTTCATTGGGATGGTTGTAGCACATAATGATGAAAATCATATAGCTAATATGGTGGCTTCATTACGAAAAGGGATTTCCGAGTTTGAAAAGAAGTGTCTGAAGGGGGAACGGGAGGCCTTGGGGGCTAGCATAGTAAACCACGCAACAGAATCAATAAATTACTTGGTTAGCAGAAAGGATGCAGATTTGTACAAATTCAATAGCTGGTGCGGTTTTCCATTTTATGATGTGGATTTTGGGTGGGGAAAGCCAGTTTTGTCTAGCACAGCTGAAGGGAAATCCAAGAATTCTATAAAATTGATAGATACAAAGGATGGTGGAGTGGAAGCTCTTGTTTGTCTGAGTGAAGAAGATATGAAAGTGTTTGAGAAGAATACAGAGCTGCTAACTTATGCTACTCTGAAACCCAATTCGCATGTGTAG

>SsPDS|c55490\_g2

ATGCCCCAAATTGGACTTGTTTCTGCTGTTACCTTGAGGGTTCAAGGTAATTCACTCTATCTTTGGAGTTCGAGGTCTGCTACTGAAAGTCACGTTGGTCGCGCACAAAGGAATTCGTTATGTTTTGGTGGTAGCGACTCCATGGGCCATAAATTAAAAATTCATACTCCCCATGCCACGGCTAGAAGATTGGCAAATGGCTTCCATCCTTTAAAGGTAGTTTGCATTGATTATCCAAGACCAGAGCTAGACAATACAGTTAACTATTTGGAGGCTGCATTGTTATCATCATCATTTCGTACATCTCCTCGCCCAACCAAACCATTGGAGGTTGTTATTGCTGGTGCAGGTTTGGGTGGTTTGTCTACAGCAAAATATTTGGCAGATGCTGGTCACAAGCCGATATTGCTCGAGGCAAGAGATGTCCTAGGTGGAAAGGTAGCTGCATGGAAAGATGACGATGGAGATTGGTATGAGACTGGGTTGCACATATTCTGTAAGTTTAACTCCTCAATAATACTGTCATTGCAATTTCTTTTGAGATCTTTTTTGTCCATTAGACAGATAGTTATCCCTGTTTGTCTTTTGTCTTTGCAAATACCAATTATTGTCAGTCAATATGTATTATACATTGCTTCTCATTTTCATCTGTTAATTTCCTGTCGTGACTCATACAAGTTGGTACTTCATCTCTTTTAAGTTGGGGCTTACCCAAATATTCAGAACCTGTTTGGAGAATTAGGGATTAATGATCGATTACAGTGGAAGGAACATTCAATGATATTTGCAATGCCTAATAAGCCAGGGGAATTCAGCCGCTTTGATTTTCCCGAAGCTTTGCCTGCACCATTAAATGGAATTTTGGCCATCCTAAAGAACAATGAAATGCTAACATGGCCAGAGAAAGTCAAATTTGCAATTGGACTCTTGCCGGCAATGCTTGGAGGGCAATCTTATGTGGAAGCTCAAGACGGGTTAAGTGTTAAGGATTGGATGAGAAAGCAAGGTGTGCCTGATAGGGTGACAGATGAGGTGTTCATTGCCATGTCAAAGGCACTTAACTTCATAAATCCTGACGAGCTATCGATGCAGTGCATCTTGATCGCTTTGAACAGATTCCTTCAGGAGAAACATGGTTCAAAAATGGCCTTCTTAGATGGTAATCCTCCTGAGAGACTTTGCAAGCCAATTGTTGAACATATCGAGTCAAAAGGTGGCCAAGTCAGACTAAACTCACGAATAAAAAAGATTGAGCTAAATGAGGATGGAAGTGTGAAGTGTTTTATACTGAACAATGGTAGTACAATTGAAGGAGATGCATTTGTGTTTGCAACTCCAGTGGATATCTTCAAGCTTCTATTGCCTGAAGAGTGGAAAGGGATCCCATATTTCCAAAAGTTGGAGAAGTTAGTCGGAGTTCCTGTGATTAATGTCCATATATGGTTTGACAGAAAATTGAAGAACACGTCTGATAATCTGCTCTTCAGCAGAAGCCCACTACTCAGTGTGTACGCTGACATGTCTGTCACATGTAAGGAATACTACAATCCCAATCAGTCGATGTTGGAATTGGTTTTTGCACCAGCAGAAGAATGGATATCTCGCAGTGACTCAGAAATTATTGATGCTACGATGAAGGAACTAGCAAAACTTTTTCCTGATGAAATTTCAGCAGATCAGAGCAAAGCAAAAATATTGAAGTATCATGTTGTCAAAACTCCAAGGTCTGTTTATAAAACAGTTCCAGGTTGTGAACCCTGTCGGCCGTTGCAAAGATCCCCTATAGAGGGTTTTTACTTAGCCGGTGACTACACGAAACAGAAATACTTGGCTTCAATGGAAGGTGCTGTCTTATCAGGAAAGCTTTGTACGCAAGCTATTGTACAGGATTACGAGTTACTTGATGCCCGGGGCCAGAGGAAGCTGGCAGAAGCAAGCCTAGTTTAG – 3’UTR – CGGAGTGGAGCTACAATTAGTGTTTGTACACAGCATATATACAAGAGAACCAAATACACAGTGTTACATAATTGAAGGGGCAAGCTCCTACCACAAACGTCAAAAAAAGATGCTTCAAGCTTAACCTTCTTTAATCAGAAATTGAAATGTAAGCACATACCATGTTATTTAATCAGAAATTGAAATGTAAGC

>SS\_c52698\_g1

ATGGTGTCTTCAAAACCCGAAGCTGGTCTAATCTACAACATCAAATTATCCTCAGTTGGACCAGCAAGGGTAACAGGACAAGATGTGGTTTATGAGCCAAGCAACATGGATTTAGCCATGAAACTACATTATTTAAGAGGGATTTATTATTTTGAAAACCAAGCATTTCAAGATTTCAACATATATAAAATTAAAGAGCCAATGTTTTCTTGGTTGAATCATTTTTATATGACATGTGGCAGGCTTAGAAGGGCAGAATCAGGGGGGCCTTATATAAAATGCAATGATTGTGGAGTTAGGTTTATTGAAGCACAATGTGATAAAACTTTGGATGAATGGCTTGAAATGAAAAATTATAATAATTCTCTTGAGAAGTTACTTGTTTCTAATCAAGTTCTTGGTCCTGAATTGGCTTTCTCCCCTCTTGTCCTCATACAGCATACTAAATTCAAATGTGGTGGAATTTCATTGGGCTTAAGTTGGGCTCATGTACTTGGAGACATATTCTCAGCAGCTGAATTTATGAACCTACTGGGAGAAGTGGTTAGTGGTTACAAACCAACCCGGCCCATTAACTTGGCCCATTCATTGACCAAAGCAAATTCAACCCAAATCCTACAAAAGATTGTGGAGGATCCAATTTCCATAAGACGGGTCGACCCGGTTGAAGATCATTGGATTGTTAAAAATAGTTGCAAGATGGAGCTATTTTCATTCCATGTCACTGCCTCCAAATTGGGCCAGTTGCAATCAAGAGTGGGCCATCAAGGCCCATTTGAATCGCTATGTGCAGTTATCTGGCAGTCCATTTCAAGAATTAGAGATGGGCCTGAGCCACAAGTTGTGACCATTTGTAAAAAAGGTGAGGGAAAAAAAGAGGGCCTTGTGGGAAACACTCAAATCATTGGTGCACTAAAGTTGGAATATTCAATTAGAGAAGCCAATCCTAGTGAACTAGCAAGGTTAGTTAAAAATGAGATCATCGACGAGCGATTAAAAATAGACGAAGCTGTGGAAAAAGAACATGGAGTATCGGATCTTGTCGTTTATGGAGCAAATTTGACTTTTGTGAACTTAGAAAGTGTTGATTTCTATGGACTTGATTGGAAGGGACACAAGCCAATGAATGTAAGTTACATAATCGACGGAGTTGGTGATGCTGGGACCGCTATGGTGTTTCGGGGGCCCAATGATATTACCAAGGAGGGTGATGAAGGAAGAACTGTGACAATGATTTTGCCCGAGGATGAGATAATGGCATTGAAAGTTGAGCTAAACAAAGAATGGTCTATTGCTTGTATTTAA

>SS\_c49704\_g1

ATGTCAAATTGCAATGGAAATGGAGTTTCACATTTTGGCTCCAATAACTTGCAAATTGAAGCAATCCAAACAGTGATACCAATAAAGCCAACTAAGCCAAGGTTGTCCCGGCGAATCGCCGTGGCTGATCAAAATGGAAATTTTCTCCAGAGGCGTTTTCACGCGGTCCTTTGCTATAACAAGGCCTCAGAGGAGGATTCAGGGTGGATCGTTGCTGGTCGGATCAAAGAGTCACTTGGAAGGGCACTTGTTGAAAATCCATTACTTGCTGGTAGACTTAAAAAAGGAGAAAATGGGGATTGTGGAGAGTTTGAAATTGTATCGAATGATTCTGGTGTTAGATTGGTTGAGGCTATAATGCCAATGAAGTTGGCAGATTTTCTTGATCTCAAGGATAAGAAAATTGCAGAAGCTGAGCTTGTCTTTTGGGAGGATGTTCATGAACCAAATCCTCAGTTTTCTCCTCTTTTTTATGTCCAGGTGACAAATTTCAAGTGTGGAAGATACTCAATTGGGATAAGTTGCAGCCTTTTTCTAGCAGATCCTTATGCCATGACTAGTTTCTTGAATAAATGGTTCAAAATTCACAATAATATGGTATCAGAATCAGACACACCCAAAATTCCAACATTTTTCCTTCCAAGTTTTAGGAAAATCGGTTGTTCACCAACTTTATCAATGAGCTCCACTACATGCCACCAAGTTAACGAAACGCTAATCTTTAAAATACCCGCGAAGATCTTGAATTTAAAAGATGACATGCACTTGAATCTTGCAGCAAAATGTGTTGGGGAAGCAGAAGACAAACTTGGTAAGAAGTCGTCGTCAAAATTCTGTTTGTTTGTTAAAGATACCTCGGAGGATGTTAAAGTGGAAACTTATTCTCGAGAAGGGATTTTGCCAGAAATATTTGGTTCTATCAATAGTGGATTAGTTTCAACCAGCTTCGATGATTTGGAAGCTGATAACATAAGGTTTAATGAAGAAAATAAGGCTGTCTTCTTTTCATGTTGGATTAACTCAGGAAATGATGATGATCTTGTGCTGATTACTCCATCTGTTGGTGAAGGTGACTCTGAAATGAAGGTTATAGTAACTGTTAGATATTAA

>SS\_c49383\_g1

ATGGGATCATTGGTTGCCCTCTTTTGTTAGTTCAGGTGACCCGTTTTAGATGTGGGGGATTTAGTGTTGGGTTCAGACTTAATCACACAATGATGGATGTATATGGTATGAAATTGTTTTTAAACGCGTTAACCGAATTAATGGGAGGAGCTGTTACACCTTCTATATTACCTGTATGGAAAAGGGATCTCCTAAGTGCTAGATCATCACCACGCATTACATGCACACACCATGAGTTTGATGAGTACTCCTCAAGGTATAATAATACAATTGCATGGTTAGACAAGAAGTTGGTCCAACAGTCTTTCTTTTTTGGAGACGAAGAGGTGGAAGCCATTCGAAATCAGTTACTAGACGATTGTCCAAATAGTACTAGTACAAAATTCGAGTTAGTAGCTGCATTTTTATGGAAGTATCGTACAATTGCTCTTGCTCCGCATCCTGAAGAGATTGTTCATCTCACTTACCTTATCAATGCACGCGGAAAATCATCGCTAAACCAATTCCAACTACCACGCGGGTACTATGGGAATGCGTTCGTTTCTCCAGCAGCAACATCAGAAGCAGGTTTGCTATGTTCAAGTCCATTAGCATATGCACTTGAATTGGTTAAGAAAGTTAAAGATCACGCAAACGAAGAATACATTAGATCAGTGGCTGATTTGATGGTGATTAAAGGGCGACCTGAGTTGAAGCAATCTTGGAATTTTATTATCTCAGATAATAGATTTGTTGGATTTGATGAAGTTGATTTTGGATGGGGAAAGCCCATGCTCGGAGGGGTTCCAAAAGCTTTATCTTTTATCAGCCATTGTGTACCTCTTTCAGATAACAAGGGGGGAAAAGGTATTCTCATAGCGATAAGTTTGCCTCCACTGGCCATGGAAAAATTTCAAGCGATTGTCTACAAGGTGACTTCCAAAAAATTGTCCAAGGCATCCCCATAA

>SS\_c57127\_g2

ATGGCTGCCAAAGTGGAGATGATATCCAAAGAAATGATCAAACCATCAACCCCAACACCTCCTTCCCTTAGAACCCACAAATTATCACTTCTCGATCAAATTGCACCCCCGGTTTTTCTCCCTCTAATTTTCTTCTACCAATATGAAGTACTTGACAATAACGACCGCACCAGAAAGTTACAGTCCTTGAAAAATTCTCTATCCGATGCTTTAACCCGATTCTACCCATTAGCTGGAACACTCAATATTAATAATAGTACCGTTGATTGCAATGATACTGGAGCAGAGTTTATTGAAGCTCAAGTTCATGGTTACACCCTCTCACAAGTTATGGAAAATCCAAATATTGAGGAATTAGCACAATTCCTCCCAATTCATGAAGCTTGTGGCATAGGGAATCATGATGTCCTTTTGGCAATCAAAGTTAATTTGTTTGATTGTGAAGGGATCGCAATTGGTGTGTGCATGTCACACAAAGTTGGCGATGGCGTGTCCCTTGTGACATTCATCAATTCATGGGCAGCCATTGCCCGAGGTGACACTGAAATTGTGCAGCCTAATTTCAACTTGGCAAGTCTTTTCCCATCAGTAGACTCGTTTAATTCAATTCACAATTCATCCATAGGAATAACTAACGAAAAACTTCTGATAAAAAGATTTGTTTTCGATAAGGAAAAGATTGATGCTCTCAAGAAATCGACTTCTATGGCCTCAGGATCAGGAGTGGAGGATCCCACTCGTGTGGAAGCCCTCTCGGCCTTCCTATGGAAACATTTCATAGAGGCTTCGAAGTTGAAAATAGACTCCAAAAAAACGTTTGCTACAATTCATATAGTCAATATGAGGCCAAGAATGAACCCAACCTTACCAGACCACTTTTTTGGGAACCTTTGGACAGTTGCATTAGCATTAAACACAATTAACTCAGAAACAAATAAATTAATGAAAACTACTAGTGATGATGATTTGGTGTACCAGTTGAGAAGTGCAATAAGGAGAATCAATGGTGACTATATAAATATGGTACAAAATAAAGAAGAGTTTCTGAAACATATAGGTAAGTTAGTAGAGTTATTTTCAAAGGGAGAAGTTGAGTTTTCATGTTATTTTACGAGCTGGAGTAAGTTTCCAGTGTATGAAGTGGATTTTGGATGGGGAAAACCAAGCAGGGTATGCACTACCACTTTGCCTTACAAGAATATGATCTTCTTCTTGCCTACAAAATGTGGAGAGGGAATAGAGGCATATGTTAACATGCCCAATGAAGATGTCTTTTCCCAAGCTTTGACATAA

>Ss\_c57127\_g3

ATGGCTGCCAAAGTGGAAATGATATCCAAAGAAATGATCAAACCATCATTGCCAACACCTCCTTCCCTTAGAACCCACAAATTATCACTTCCTGATCAAATTGCACCCCCAGTTTTCATCCCTTTAATTTTCTTCTACCAATATGAAACAGTTGACAATATCGACCGTGCCAGAAAGTTACACTCCTTGAAAAATTCTCTATCTGATGCTTTAACTCGATTCTACCCATTGGCTGGAACACTTAATATTAATAGCAGTACCATTAATTGCAATGATATTGGAGTAGAGTTTATGGAAGCTCAAGTTCATGATTACAGCCTCTCACAAGTTATGGAAAATCCAAAAATTGAGGAATTAACACAATTTCTCCCAATTGAAGCTTGTGGCATGGAGAACCATAATGTCCTTTTAGCAATCAAAGTTAATTTTTTTGATTGTGGAGGGATTGCAATTGGGGTGTGCATGTCTCATAAAGTTGGTGATGGCTTGTCCATAGTAACATTCATCAATACATGGGCAGCCATAGCCCGGGGTGACACCGAAAAAATTGTGCAGCCAAATTTCAACTTGGCAAGTCTTTTCCCACCAGTAGACTTGTCTAGTTCAAGTTACAATTCATCTATAGGGATAACTAACAAAAAACTTATGATAAGAAGATCTGTTTTCGATAAGAAACAGATTGATGCTCTCAAGAAATCGGCTTCTATGGCCTCAGGATCACGAGTGGCGGATCCCACTCGTGTGGAAGCCGTCTCGACCTTCCTATGGAAACATCTCATAAAGACTTCAAAGTCGAAAATAAACTCCAACAAAATGTTTGCTGCAATTCATATAGTTAATATGAGGCCAAGAATGAGCCCAACCTTACCTGACCACTTTTTTGGGAACCTTTGGACAACAGCACTAGCATTAATCACAAATAATTCAGAAACTAGTGATGATGAGTTGGTGTACGAGCTGATAGGTGCAATAAGAAAAATCAACAGTGAATATATAAATATGTTACAAAATGGAGAAGAATTGTTGAAGCATGCGGGGAAGTTAGTTGAGTTATTATCAAAGGGAGAAGTTGAGTTTTGTTGTTTTACGAGCTGGTGTAGGTTTCCAGTGTATGAAGCGGACTTCGGATGGGGAAAACCAATAAGGGTATGCACTACCACTTTGCCTTACAAGAATTGTATCTTCCTCTTGCCTACAAAATGTGGAGAGGGAATAGAGGCATATGTTAACATGCTAAACCATGATGTCCTTTACGAGCTCTGA

>HnASAT1|HN\_c58659\_g1\_i1

ATGGCTGCCTCAGCTTTACTTTCTTTATCCAAAAAAATCATAAAACCATTTTCTCCAACACCATTTTCTGAAAGAATTTACAAGCTTTCTTTCATTGATCAATTCAATACTACACAATATAACCCCCTCGCCTTCTTCTATCCCAAAAACAAGGGAGTACCCTCAATTGATCCAAATGATATGTGTAAGGTTATAGAGAATTCACTTTCAAAAGCCTTAGCTGCTTATTACCCTTTTGCTGGAACATTGCGAGACAATATTTATATCGAGTGTAACGATATAGGTGCTGATTTTTACAAGGCTCGATTCGATTGTCCCATGTCTGAAATTCTCAAAAGTCAGGATAGAAATGTCAAAGAAATAGTGTATCCCAAAGATGTGCCATGGAACATTGTTACACCTAGCAGAAAGTTGGTCGTGGTTCAGTTTAACCAATTTGATTGTGGAGGAATTGCTCTAAGTGCATGCGTTTCACACAAGATTGAAGATATGCATACATTTTATAAGTTTATGCATGATTGGGCTGCAATATCGCTCTGTTCTAACGTAAATATATGTCCTCAATTTATTGGATCGTCAGTTTTCCCACCTACAAATGAAGCTGTGAATGAACCACCTCGCGAACAATGTGTAACAAAGAGATTACTTTTTTCAAACCATGCATTGAAATCTCTCCTCCCAGGATCATCAGAAGTGAAAAATCCAACTCGGGTTGAAATACTGACAGCACTTCTTTATAAATGTAGTATGAGGGCGAATTCTAGTGGATTGTTCAAGCCATCAATGTTGTTTCAAACTATCAATTTAAGACCTATTATACCTTTGCCAGATAATACTCCTGGAAATTTCAGTTCTTCCCTTTTTGTACCAACATATACTGAAGAAGAAATGAAGTTATCAAGATTGGTTAGTGAGCTAAGGAAAGGAAAAGAAAAATATTTTGATGATTACAGAAAGTGTAAAGAAGGTCATCAAGATATGGTTTCTACAACAACGAGACCGTATCAAGAAATAAGGGCTCTGTTCAAGGACAATGATTTTGATCTTTATAGGTGTAGTAGTTTGGTGAATTATGGGTGGCATGGTTTAGACTTTGGATGGGGTATGCCTAATAGAGTAAGTATGGCAGACGTGAAACTGAGAAATATTTTCATGCTGTTCGATAACAACACAGAGGATCATGTAGAAGCACAGGTATCTTTTGACAAAGAAAGTAAAATGTCGGCGTTCTTACGAGAGATTGAGCAAGTTCTTG

>HnASAT2|HN\_c61400\_g1\_i3

ATGGCTGCTCCAAGACTTGTTTTACTTTCCAAAAAGATCATTAAGCCTTCTTCTCCTACACCACTTTCACATAGAATTCAAAAGCTCTCTCTTATGGATCAAATGGGGACTCACTCCTACAGTCCATTTTCTTTCTTCTACCCCAAACAGGACACTGCAAGCTCGCCAGAACCAACAAAGGTATTCGAAATTCTTGAAAAATCCCTTTCCAAAGTCCTAACGGCTTATTATCCGTTTGCTGGACGCATAAGAGATAACTCCTTGATTGAATGTAATGACATGGGTGTCGAACTCTCTCACGTTCGAATTGATTGTCCAATGTCCACTATCTTCAATCACCCTCATACTGATATCGATAATTTGATCTTTCCAGACGATCCTTGGTTCCCATCCACGGAAAGTTTAGTCGTAGCTCAACTTAGTCATTTCAAATGTGGTGGCGTAGTGCTCGGTGCGTCCTTCTCCCACAAGGTCAGTGATGGGCTGAGTACGATTAAATTCCTACGGGACTATGCAATGGTTGCGCGTAATTCAGAAGCAAAACCTTCTCCCCTGTTTACTGGTGCGTCAATTTTTCAACCAATCAAATTTTCTTCATCGTCTCCCGTTATTGTTGATCCTCCTCGAAAACTAAATGCATCGAAAAGGTACCATTTTTCAACTTCCAAGCTAAAAGCTCTAAAGGCCTTTGTTTCAGCTGATTCCAAAAGCCAAATTCTTCCAACAACTGTGGAAGCTGTAACTGCATTCCTTTGCAAATGCGTTAACACGCCAACTTTTAAGCCATCATTATTGGTGCAGGCAGTTAACCTACGTGGAACAAATAATGATGCACTCGTTCCAGCAGACTTGTTCGGGAACGCCGTACTTCCTTTCGCTGTATCAGCAGCGAATAAGGAAGAGATAAATTTGCAAAGACTAGTTGGTGAGCTTAGAAAAGGAAAAGAGAAGATCCAAGATACGCTCAAATATGTTAAATCAGAAGAGTTGCTATGTTCAACGGTGTCTGAAATAGCTAGAGAGATGAACGAGCAGACCTCAAGCAACGATATGCCTATGTACAGATTTACTAGTTTAAGGAAATTCCCATTACATGACATAAATTTTGGATGGGGGAGGCCAAGAAGAGTGGATATGGCTACTTATCCGGTGAATATGTTTGTCTTGATGGATAACCTAAGTGGGGACGGAGTTGAAGTGCTCGTAAACTTGGAAGAAGGAGAGATGTCTGCATTTGAAAGTAACAACGAGCTTCATCAGTTTGCTTCTCCATTCTCGGGACTCTAG