

Figure 3-figure supplemental 1. Proportion of significantly-varying subtrees by chromosome
- corrected for 217 tests

Subtree	Proportion of window trees with subtree							Genome	Corrected p-val
	Chromosome								
	1	2	3	4	5	6	7		
japon/sib	0.49	0.51	0.47	0.14	0.48	0.53	0.43	0.45	3.7E-19
aur/japon/sib/vul	0.36	0.35	0.31	0.07	0.35	0.38	0.31	0.31	2.4E-12
japon/oxy	0.23	0.24	0.29	0.47	0.25	0.19	0.22	0.26	3.6E-10
oxy basal	0.37	0.29	0.27	0.10	0.32	0.36	0.31	0.30	7.0E-09
N. Americans	0.02	0.05	0.02	0.11	0.03	0.02	0.05	0.04	3.0E-06
aur/japon/oxy	0.01	0.01	0.01	0.05	0.00	0.00	0.00	0.01	2.6E-04
bar/chr/for/lon/pub	0.97	0.97	0.97	0.90	0.98	0.96	0.97	0.96	6.2E-03
bar/pub	0.26	0.12	0.17	0.13	0.13	0.17	0.17	0.17	6.6E-03
japon/oxy/sib	0.09	0.17	0.14	0.24	0.12	0.14	0.14	0.14	2.9E-02
japon/sib/vul	0.10	0.06	0.05	0.02	0.08	0.11	0.10	0.07	3.9E-02