

>SC5314\_CEN4\_Reference\_PCR\_Primer2&3\_Sanger\_Primer2

TCACAAGTATTCTTCTTCATCATCAATATGGTTTTACTAAAACGGTAATTTACAATAAACCTCAAACGTCTGGAGATATTTCCCAA  
ATCGCAAACAAGAATAGCCTCTACCTTCAATTCTGGTCATTTTCATCAGTTTAAAAATCCAACCTCCACACATCAAACTGTCAAAGA  
GATAGTGACCAATGGAAAAATCAATGCAATTAATCCTATAACAAATACCACAGTTCTATGATCAAAAACTCCCAGTTCCAACACAAT  
TCCATTTCATACCAACCATGCAAAACCTCTGATAGTACAACCTAAGAAGAACTCAACGGCAGACTTAAACCCACAACAAAAAGACAA  
TTGAATAAATGATCCTCCTGTCAACGACCAACCTTAATTTGTAACCTTCACAAATATCACCAAGAGAAATGTCACCAATATAAATA  
GGGACCACCGGAACCTCAAGACAAGGCTCACACCGGCCCTATCTCATTTGATTTAGCTCCTATCTCTACCCGCAACCCACAGCCAGCT  
TGTCTATGCCACACAAAGGGATTCTTTACCTCTCCAAAACGTCTATACCACCGCTGTTAAATTGGTATGTTTCATGCGTAATTCTGA  
TAACCAAATCAAAACAGTACGCATGCTGGATCTTCTTCCCTTTGGGAAACAACACACGTAGTTTTCTAAATTCCTTCATAACAGCT  
ATTTTTTGAAATGTTTCCAAGGTCAATTCTCTTTCTCTAGCCAAGTGCGGCCACCAAATTACGGGTATCATCATTGACTAGCCCTA  
CTCTCTAAGCTAGAATTAGCTGAAGTTATACAACCACCTCTATGATCTTAGGACCACAGTAACACAAAAATGCAATCATCATTATC  
TAAATGGCAACAGAGTGACAACCTCATATAATCTAATACTTCTTTCCCTATATCT

>SC5314\_CEN4\_Reference\_Primer2&3\_Sanger\_Primer3

TCATAATGTTTTGTAACGCCATGAGAAATCAGGGATATGACTTTCTCATACATTATTTTTAATAAGTCAAACCTGTGTGATCGTTGT  
GGTTTGATTTTTTACAATGGGCATTTCTGATGCAAGATCTTCAAGATCTTCAAGAAAAATATCAAACTGACTAGATCAATGAGTAT  
ACCATTGGCAGAAACAGATACTTTCTTAATAACTTAGGTCATTATCTAGTTGTGCTAGTTAAATCAAAAATTTCTTGAAACACATTT  
AGTCAGTACTAAGTTTAAGGAAGCGTATGGTGTAGTAACATTATTCGAATTGGCGATTAGGATTTGATATCACTGATGGTGTAGGTG  
AGCCTAGGCTTAATTTGATCTTTATGGAAATTACAGTATTTGGGACGATATTTTGAACCTCCCTAATAATAGTAGATGGTAGAGTTC  
CTCCTGCACTAGATATACTGTAGTGACAGAATTGCCAAAGATTGTATGAAGTACTGAATTTCTGTGATTGCTTGCTTAGAACTGC  
CAATTTGTTCTGTGGCTCTTGATATACTGGTAGAAAAGTTAATTTTTAATGAGCGGCTTGCAAGATGATTTTAGTTTGGTCCCAAAG  
AAGCTCTTTTCGGTTGCCTGGCTAATGGGGATTACAGTGCGCAAAGGTTTCAATTTACAGCATATTGATTCGTATGACAATTAATATG  
TAATGTTTATAATCGACGTGAAGATACTAGGTCTCAGTGAGTTGTTGTTGNNNTATAGTATTGGTTGGTATAGTTTAGTTAGAGG  
CTTGATCAGCAGCAATACGTTGATAATTTTTTTCAAATTTGATTTTCTTCTACGAAGGGTAACAGGTTTTCAAATGTGAAGTAT  
CCTGGAATTACAGTAGAGTAGGATTACCTAATCGACGTGAA

>SC5314\_CEN4\_Inversion\_Primer2&4\_Sanger\_Primer2

CGTCCTCACAAGTATTCTTCTTCNTCATCAATATGGTTTTACTAAAACGGTAATTTACAATAAACCTCAAACGTCTGGAGATATTT  
CCCAAATCGCAAACAAGAATAGCCTCTACCTTCAATTCTGGTCATTTTCATCAGTTTAAAAATCCAACCTCCACACATCAAACTGTC  
AAAGAGATAGTGACCAATGGAAATCAATGCAATTAATCCTATAACAAATACCACAGTTCTATGATCAAAAACTCCCAGTTCCAAC  
ACAATTCCATTTCATACCAACCATGCAAAACCTCTGATAGTACAACCTAAGAAGAACTCAACGGCAGACTTAAACCCACAACAAAA  
GACAATTGAATAAATGATCCTCCTGTCAACGACCAACCTTAATTTGTAACCTTCACAAATATCACCAAGAGAAATGTCACCAATAT  
AAATAGGGACCACCGGAACCTCAAGACAAGGCTCACACCGGCCCTATCTCATTTGATTTAGCTCCTATCTCTACCCGCAACCCACAGC  
CAGCTTGTCTATGCCACACAAAGGGATTCTTTACCTCTCCAAAACGTCTATACCACCGCTGTTAAATTGGTATGTTTCATGCGTAAT  
TCTGATAACCAAATCAAAACAGTACGCATGCTGGATCTTCTTCCCTTTGGGAAACAACACACGTAGTTTTCTAAATTCCTTCATAA  
CAGCTATTTTTTGAATGTTTCCAAGGTCAATTCTTTCTTCTAGCCAAGTGCGGCCACCAAATTACGGGTATCATCATTTGACTA  
GCCTACTCTCTAAGCTAGAATTAGCTGAAGTTATACAACCACCTCTATGATCTTAGGACCACAGTAACACAAAAATGCTGTCAAAC  
CTAGCACGCTAGTATGAGTCAACCACTGATAAGATCATATTTGAAATCTACAGTATATACACAACACCATTCAAAACAGCG

>SC5314\_CEN4\_Inversion\_Primer2&4\_Sanger\_Primer4

AGAATTGGTTGAGTTGAATTTTCGTGATTAATTTAGAATGGTAGTGAATTTTGAAATCTTAACTGTGAGGTAAGATATTTATCGCTG  
TTTTGAATGGTGTGTGTATATACTGTAGATTTCAAATATGATCTTATCAGTGGTTGACTCATACTAGCGTGCTAGGTTTGACAGC  
ATTTTTGTGTTACTGTGGTCCTAAGATCATAGAGGTGGTTGTATAACTTCAGCTAATTCTAGCTTAGAGAGTAGGCTAGTCAATGA  
TGATACCCGTAATTTGGTGGCCGCACTTGGCTAGAAGAAAGAGAATTGACCTTGGAACATTTCAAAAAATAGCTGTTATGAAGGA  
ATTTAGAAAACACGTGTGTTGTTTCCCAAAGGGAAGAAGATCCAGCATGCGTACTGTTTTGATTTGGTTATCAGAATTACGCATG  
AACATACCAATTTAACAGCGGTGGTATAGACGTTTTGGAGAGGTAAAGAATCCCTTTGTGTGGCATAGACAAGCTGGCTGTGGTTG  
CGGGTAGAGATAGGAGCTAAATCAAATGAGATAGGGCCGGTGTGAGCCTTGCTTGAGTTCGGTGGTCCCTATTTATATTGGTGA  
CATTTCTCTTGGTGATATTTGTGAAGTTACAAATTAAGGGTTGGTCGTTGACAGGAGGATCATTTATTCAATTGCTTTTTTGTGTTG  
GGGTTTAAGTCGTGCCNTTGAGTTCTCTTAGTTGTACTATCAGAGGTTTTGCATGGTTGGTATGAATGGAATTGTGTTGGAACCTG  
GGAGTTTTTGATCATAGAATGTGGTATTTGTTATAGGATTAATTGCATTGA