|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| Reagent type (species) or resource | Designation | Gene sequence (altered base(s) highlighted): Amino acid codon (underlined) | Codon position:  Start (5') - End (3') |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2W.T  (Tb927.10.14170) | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGTGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA |  |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2S131P/S263A | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACCCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCGCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | CCT: 391-393  GCA: 787-789 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L258Y | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCTATGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | TAT: 772-774 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2I110W | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTTGGGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | TGG:328-330 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L264R | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACGTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | CGT: 790-792 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2I110W/L264R | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTTGGGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACGTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | TGG: 328-330  CGT: 790-792 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2I190T | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGACTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | ACT: 568-570 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2W192G | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | GGG: 574-576 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2I190T/W192G | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGACTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | ACT: 568-570  GGG: 574-576 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L84W | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCTGGATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | TGG: 250-252 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L84M | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCATGATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | ATG: 250-252 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L118W | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTTGGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | TGG: 352-354 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L118M | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTATGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | ATG: 352-354 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L218W | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGTGGCTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | TGG: 652-654 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L218M | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCCTCATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGATGCTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | ATG: 652-654 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP2L84W/L118W | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGTTGACAACAGTAGCAATGAGCGGTGGGATGCAGATGTACAAAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGAAACCCGTGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACGTGGCTGAATTTCTGGGAAACTTCGTCTGGATATATATCGCTAAGGGCGCGGTTATCACCTCACTACTTGTTCCAGATTTTGGGCTTCTCGGTCTTACGATTGGTATTGGTGTGGCTGTCACGATGGCTTGGTATGTTTCACTGGGCATCTCCGGTGGCCATCTCAACTCTGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGCACTTTCCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGATTGCGGGGGTGTTTGCCATGTACCCCGCGGAAGGAAATGGTATATTTTATCCAATTTTTGCTGAACTCATTTCCACCGCAGTGCTACTGCTCTGTGTCTGCGGTATCTTTGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGGTACGAAACGGTAGCTATTGGTGCTCTTGTCTTCGTCATGGTCAACAACTTCGGCTTAGCGTCTCCCCTTGCGATGAATCCCTCACTTGATTTCGGTCCCAGGGTCTTCGGTGCGATCCTTCTCGGGGGGGAAGTTTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTGTTCCATTCTTTGGAGCTATCCTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTCTTCCACACTAA | TGG: 250-253  TGG: 352-354 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP3W.T  (Tb927.10.14160) | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGACGACAGTAGCAACCGGAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGGAAGTACCGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACATGGGGGAGCTGCTGGGAACCTTCGTCCTGCTCTTTATGGGTAATGGTGTGGTCGCCACGGTTATCATTGATGGGAAACTGGGGTTCCTCAGCATTACGCTTGGTTGGGGCATTGCCGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCATTGGGTATCTCGAGCGGCCACCTTAATCCCGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGTGCCTTTCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGACCGCAGGTGTGTTCAGCACCTACCCAAGGGATTCAAATGGTCTATTTTCTTGTATCTTTGGTGAGTTTATATGTACGGCGATGCTATTGTTCTGTGTCTGCGGTATCTTCGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGACACGAGCCGTTGGCAGTTGGTGCTCTTGTCTTCGCCATTGGCAATAACATCGGTTACTCAACGGGTTACGCAATAAATCCGGCTCGTGACTTCGGTCCCAGGGTCTTCTCTTCTTTTCTTTATGGTGGGAAGGTGTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTATTCCATTGTTTGGAGGTATCTTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTGTGCCACACTAA |  |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP3W102I/R256L | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGACGACAGTAGCAACCGGAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGGAAGTACCGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACATGGGGGAGCTGCTGGGAACCTTCGTCCTGCTCTTTATGGGTAATGGTGTGGTCGCCACGGTTATCATTGATGGGAAACTGGGGTTCCTCAGCATTACGCTTGGTATGGGCATTGCCGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCATTGGGTATCTCGAGCGGCCACCTTAATCCCGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGTGCCTTTCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGACCGCAGGTGTGTTCAGCACCTACCCAAGGGATTCAAATGGTCTATTTTCTTGTATCTTTGGTGAGTTTATATGTACGGCGATGCTATTGTTCTGTGTCTGCGGTATCTTCGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGACACGAGCCGTTGGCAGTTGGTGCTCTTGTCTTCGCCATTGGCAATAACATCGGTTACTCAACGGGTTACGCAATAAATCCGGCTCTTGACTTCGGTCCCAGGGTCTTCTCTTCTTTTCTTTATGGTGGGAAGGTGTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTATTCCATTGTTTGGAGGTATCTTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTGTGCCACACTAA | ATG: 304-306  CTT: 766-768 |
| gene (*Trypanosoma brucei*) | TbAQP3W102I/R256L/Y250L | ATGCAGAGCCAACCAGACAATGTGGCGTATCCCATGGAGCTACAAGCGGTTAATAAGGATGGAACAGTGGAGGTCCGTGTTCAGGGAAACGACGACAGTAGCAACCGGAAACATGAGGTGGCGGAGGCTCAAGAGGAAGTACCGGGAGGCATCAACTTTTGGGCACCACGGGAACTGCGGCTAAATTACCGCGACTACATGGGGGAGCTGCTGGGAACCTTCGTCCTGCTCTTTATGGGTAATGGTGTGGTCGCCACGGTTATCATTGATGGGAAACTGGGGTTCCTCAGCATTACGCTTGGTATGGGCATTGCCGTCACGATGGCTCTGTATGTTTCATTGGGTATCTCGAGCGGCCACCTTAATCCCGCCGTCACCGTTGGCAATGCGGTTTTCGGTGATTTCCCTTGGAGAAAAGTCCCCGGCTACATCGCGGCGCAGATGCTCGGTGCCTTTCTTGGTGCTGCCTGCGCTTACGGAGTGTTTGCTGATCTCCTGAAGGCGCATGGTGGTGGTGAGTTGATTGCCTTCGGTGAAAAGGGGACCGCAGGTGTGTTCAGCACCTACCCAAGGGATTCAAATGGTCTATTTTCTTGTATCTTTGGTGAGTTTATATGTACGGCGATGCTATTGTTCTGTGTCTGCGGTATCTTCGACCCCAATAACTCTCCTGCCAAGGGACACGAGCCGTTGGCAGTTGGTGCTCTTGTCTTCGCCATTGGCAATAACATCGGTTACTCAACGGGTCTCGCAATAAATCCGGCTCTTGACTTCGGTCCCAGGGTCTTCTCTTCTTTTCTTTATGGTGGGAAGGTGTTTTCACATGCAAATTATTATTTCTGGGTTCCACTAGTTATTCCATTGTTTGGAGGTATCTTTGGACTTTTTCTGTACAAATATTTTGTGCCACACTAA | ATG: 304-306  CTC: 748-750  CTT: 766-768 |