

dSARM1\_307-992 NGQMF<sup>K</sup>TADL<sup>L</sup>LDL<sup>K</sup>SL<sup>T</sup>TA...TEQT<sup>I</sup>N<sup>K</sup>YSN<sup>M</sup>L<sup>T</sup>TSIV<sup>S</sup>SL<sup>S</sup>QEDERGGS<sup>A</sup>IT  
 hSARM1\_1-724 MVL<sup>T</sup>L<sup>L</sup>SAY<sup>K</sup>LC<sup>R</sup>FFFA<sup>S</sup>MSG<sup>P</sup>RFGAERLAVP<sup>G</sup>PDGGGG<sup>T</sup>GPWAA<sup>G</sup>GR<sup>G</sup>PR<sup>V</sup>SVSPGAGTE<sup>V</sup>QD<sup>A</sup>LE<sup>R</sup>ALP<sup>E</sup>L<sup>L</sup>QQA<sup>L</sup>SL<sup>A</sup>LK.....

H3 (ARM1) H1 (ARM2) H2 (ARM2) H3 (ARM2) H1 (ARM3)  
 222222222222 222222222222 22222222 2...22222222 22222222 22222222 22222222 22222222 22222222

dSARM1\_307-992 VHD<sup>V</sup>GG<sup>K</sup>K<sup>K</sup>..SQY<sup>L</sup>E<sup>K</sup>I<sup>N</sup>E<sup>V</sup>I<sup>R</sup>RA<sup>V</sup>AV<sup>P</sup>TH<sup>G</sup>H<sup>E</sup>L<sup>L</sup>GY<sup>S</sup>LC<sup>N</sup>SL<sup>R</sup>Q<sup>S</sup>GG<sup>L</sup>DL<sup>L</sup>MK<sup>N</sup>CV<sup>K</sup>PD<sup>L</sup>Q<sup>.</sup>FS<sup>S</sup>AA<sup>L</sup>LE<sup>L</sup>Q<sup>C</sup>L<sup>T</sup>TEN<sup>R</sup>K<sup>H</sup>V<sup>V</sup>DN<sup>G</sup>L<sup>D</sup>K<sup>V</sup>  
 hSARM1\_1-724 ..Q<sup>A</sup>GG<sup>A</sup>RA<sup>V</sup>GAG<sup>L</sup>AE<sup>V</sup>F<sup>L</sup>Q<sup>L</sup>VE<sup>E</sup>AW<sup>L</sup>LL<sup>A</sup>AV<sup>G</sup>GR<sup>V</sup>AA<sup>Q</sup>LC<sup>D</sup>AT<sup>R</sup>LD<sup>L</sup>GG<sup>L</sup>DL<sup>L</sup>LL<sup>R</sup>LL<sup>Q</sup>AP<sup>E</sup>LE<sup>T</sup>RV<sup>Q</sup>AA<sup>R</sup>LE<sup>L</sup>Q<sup>I</sup>L<sup>V</sup>AEN<sup>R</sup>DR<sup>V</sup>ARI<sup>G</sup>L<sup>G</sup>V<sup>I</sup>

H2 (ARM3) H3 (ARM3) H1 (ARM4) H2 (ARM4) H3 (ARM4) H1 (ARM5) H2 (ARM5)  
 2222222222 222222222222 2222222222 22222222 222222222222222222 2222222222 22222222 22222222

dSARM1\_307-992 VN<sup>V</sup>AV<sup>C</sup>VTCKNSN<sup>M</sup>EH<sup>S</sup>RV<sup>G</sup>T<sup>G</sup>ILE<sup>H</sup>L<sup>F</sup>FK<sup>H</sup>SE<sup>C</sup>T<sup>C</sup>SD<sup>V</sup>IR<sup>L</sup>GG<sup>L</sup>DAV<sup>L</sup>FE<sup>C</sup>RT<sup>S</sup>DL<sup>E</sup>T<sup>L</sup>RA<sup>H</sup>CA<sup>S</sup>ALAN<sup>L</sup>LS<sup>V</sup>YGAEN<sup>Q</sup>EE<sup>M</sup>IL<sup>R</sup>KV<sup>P</sup>M<sup>W</sup>L<sup>F</sup>  
 hSARM1\_1-724 L<sup>N</sup>LA<sup>K</sup>..ERE<sup>P</sup>VE<sup>L</sup>ARS<sup>V</sup>AG<sup>L</sup>ILE<sup>H</sup>MF<sup>F</sup>K<sup>H</sup>SE<sup>B</sup>ET<sup>C</sup>Q<sup>R</sup>LV<sup>AA</sup>AG<sup>L</sup>DAV<sup>L</sup>LY<sup>W</sup>CR<sup>R</sup>TD<sup>P</sup>AL<sup>R</sup>HA<sup>C</sup>AL<sup>G</sup>N<sup>C</sup>AL<sup>H</sup>GG<sup>Q</sup>AV<sup>Q</sup>RR<sup>M</sup>VE<sup>K</sup>RAE<sup>W</sup>L<sup>F</sup>

H3 (ARM5) H1 (ARM6) H2 (ARM6) H3 (ARM6) H2 (ARM7)  
 222 22,222222222222 2222222222 22222222222 2222222 22,22 222222222222 22222222

dSARM1\_307-992 PLAF<sup>H</sup>ND<sup>D</sup>N<sup>.</sup>TK<sup>Y</sup>YA<sup>C</sup>LA<sup>H</sup>AV<sup>L</sup>VA<sup>N</sup>KE<sup>I</sup>EA<sup>V</sup>EL<sup>K</sup>SG<sup>C</sup>LD<sup>L</sup>VE<sup>P</sup>FE<sup>V</sup>TS<sup>H</sup>DE<sup>S</sup>AF<sup>A</sup>R<sup>S</sup>N<sup>L</sup>LA...HAH<sup>G</sup>Q<sup>S</sup>SK<sup>H</sup>WL<sup>K</sup>RL<sup>V</sup>PL<sup>V</sup>LS<sup>S</sup>NR<sup>E</sup>EA<sup>R</sup>N<sup>L</sup>LA  
 hSARM1\_1-724 PLAF<sup>S</sup>KE<sup>D</sup>E<sup>L</sup>LR<sup>L</sup>HL<sup>A</sup>CL<sup>A</sup>V<sup>A</sup>VL<sup>AT</sup>N<sup>K</sup>EE<sup>V</sup>E<sup>R</sup>VER<sup>S</sup>GT<sup>L</sup>AL<sup>VE</sup>PL<sup>V</sup>AS<sup>LD</sup>E<sup>G</sup>R<sup>F</sup>AR<sup>CL</sup>VD<sup>AS</sup>DT<sup>S</sup>Q<sup>G</sup>RG<sup>P</sup>DD<sup>L</sup>Q<sup>R</sup>LV<sup>PL</sup>LD<sup>S</sup>NR<sup>E</sup>EA<sup>Q</sup>CC<sup>IG</sup>

H3 (ARM7) H1 (ARM8) H2 (ARM8) H3 (ARM8)  
 2222222222222222 2222 2222222222 222222222222

dSARM1\_307-992 AF<sup>H</sup>FC<sup>ME</sup>AG<sup>I</sup>K<sup>I</sup>RE<sup>Q</sup>NT<sup>D</sup>IE<sup>R</sup>ET<sup>I</sup>NA<sup>I</sup>E<sup>A</sup>L<sup>K</sup>N<sup>V</sup>AS<sup>.</sup>CP<sup>N</sup>AI<sup>A</sup>SK<sup>F</sup>FA<sup>Q</sup>AL<sup>R</sup>L<sup>I</sup>GE<sup>T</sup>VP<sup>H</sup>K<sup>L</sup>IS<sup>Q</sup>OV<sup>PL</sup>WS<sup>V</sup>ED<sup>VQ</sup>E<sup>W</sup>V<sup>K</sup>Q<sup>I</sup>GF<sup>N</sup>D<sup>Y</sup>IK<sup>F</sup>NE  
 hSARM1\_1-724 AY<sup>L</sup>LC<sup>AA</sup>AA<sup>I</sup>IS<sup>LQ</sup>CK<sup>R</sup>TK<sup>V</sup>ES<sup>DI</sup>GA<sup>I</sup>QS<sup>L</sup>K<sup>R</sup>LV<sup>S</sup>YS<sup>T</sup>NG<sup>T</sup>KS<sup>AL</sup>A<sup>K</sup>R<sup>AL</sup>RL<sup>L</sup>GE<sup>B</sup>V<sup>P</sup>RP<sup>I</sup>IL<sup>F</sup>SV<sup>PS</sup>W<sup>K</sup>EAE<sup>VQ</sup>T<sup>WL</sup>Q<sup>I</sup>GF<sup>S</sup>SK<sup>Y</sup>C<sup>E</sup>SE<sup>RE</sup>

SAM1 SAM2  
 dSARM1\_307-992 SQ<sup>V</sup>DG<sup>D</sup>LL<sup>L</sup>KL<sup>N</sup>Q<sup>D</sup>N<sup>I</sup>RA<sup>D</sup>IG<sup>C</sup>IG<sup>N</sup>G<sup>I</sup>LL<sup>K</sup>RF<sup>F</sup>REL<sup>Q</sup>N<sup>L</sup>K<sup>R</sup>MA<sup>D</sup>YS<sup>S</sup>KK<sup>D</sup>TA<sup>K</sup>M<sup>H</sup>Q<sup>F</sup>L<sup>SE</sup>T<sup>G</sup>TD<sup>V</sup>CT<sup>Y</sup>TY<sup>Y</sup>AML<sup>N</sup>AG<sup>ID</sup>K<sup>AL</sup>PH<sup>V</sup>NE<sup>DM</sup>L<sup>MT</sup>  
 hSARM1\_1-724 Q<sup>V</sup>DG<sup>D</sup>LL<sup>L</sup>LR<sup>TE</sup>EB<sup>L</sup>Q<sup>T</sup>DL<sup>G</sup>MK<sup>S</sup>SG<sup>I</sup>TR<sup>K</sup>RF<sup>F</sup>REL<sup>EL</sup>BL<sup>K</sup>TFAN<sup>YS</sup>TCD<sup>R</sup>SN<sup>L</sup>AD<sup>WL</sup>GL<sup>S</sup>LD<sup>PR</sup>EQ<sup>Y</sup>TY<sup>Y</sup>GL<sup>V</sup>SC<sup>G</sup>LD<sup>R</sup>SL<sup>H</sup>RV<sup>S</sup>EQ<sup>QL</sup>LE

dSARM1\_307-992 E<sup>C</sup>GI<sup>H</sup>NS<sup>I</sup>HR<sup>R</sup>IL<sup>N</sup>AV<sup>K</sup>N<sup>.</sup>L<sup>E</sup>NS<sup>S</sup>LP<sup>S</sup>SS<sup>E</sup>ENMA<sup>K</sup>TF<sup>D</sup>V<sup>F</sup>VS<sup>Y</sup>RR<sup>S</sup>NG<sup>S</sup>QL<sup>A</sup>SL<sup>L</sup>KV<sup>HL</sup>QL<sup>R</sup>G<sup>F</sup>SV<sup>F</sup>ID<sup>V</sup>ER<sup>LE</sup>AG<sup>K</sup>FD<sup>NG</sup>LL<sup>NS</sup>I<sup>RO</sup>AK  
 hSARM1\_1-724 D<sup>C</sup>GI<sup>H</sup>LG<sup>V</sup>HR<sup>R</sup>AR<sup>I</sup>LA<sup>AR</sup>EM<sup>L</sup>HS<sup>F</sup>LP<sup>C</sup>GG<sup>G</sup>K<sup>P</sup>SG<sup>D</sup>TF<sup>D</sup>V<sup>F</sup>VS<sup>Y</sup>RR<sup>S</sup>NG<sup>S</sup>QL<sup>A</sup>SL<sup>L</sup>KV<sup>HL</sup>QL<sup>R</sup>G<sup>F</sup>SV<sup>F</sup>ID<sup>V</sup>ER<sup>LE</sup>AG<sup>K</sup>FD<sup>ED</sup>K<sup>L</sup>I<sup>Q</sup>SV<sup>MG</sup>AR

TIR  
 dSARM1\_307-992 NF<sup>V</sup>LV<sup>L</sup>TP<sup>D</sup>AL<sup>H</sup>RC<sup>I</sup>ND<sup>E</sup>CK<sup>D</sup>KW<sup>V</sup>HE<sup>IV</sup>EA<sup>LN</sup>SN<sup>C</sup>N<sup>I</sup>IP<sup>I</sup>ID<sup>Q</sup>Q<sup>F</sup>DW<sup>PE</sup>VER<sup>LP</sup>ED<sup>MR</sup>SV<sup>AH</sup>FNG<sup>V</sup>N<sup>WI</sup>HD<sup>YQ</sup>DA<sup>C</sup>ID<sup>K</sup>LE<sup>R</sup>FL<sup>GE</sup>KN  
 hSARM1\_1-724 NF<sup>V</sup>LV<sup>L</sup>SP<sup>GA</sup>LD<sup>K</sup>CM<sup>Q</sup>HD<sup>E</sup>CK<sup>D</sup>KW<sup>V</sup>HE<sup>IV</sup>TA<sup>LS</sup>CG<sup>K</sup>N<sup>I</sup>IV<sup>P</sup>ID<sup>G</sup>FE<sup>W</sup>PE<sup>P</sup>Q<sup>V</sup>LP<sup>ED</sup>M<sup>Q</sup>AV<sup>LT</sup>FNG<sup>L</sup>K<sup>WS</sup>HE<sup>YQ</sup>EA<sup>TI</sup>E<sup>K</sup>LI<sup>R</sup>FL<sup>Q</sup>GR<sup>SS</sup>

dSARM1\_307-992 ID<sup>R</sup>IAA.....MV<sup>PG</sup>  
 hSARM1\_1-724 RD<sup>SS</sup>AG<sup>S</sup>SD<sup>T</sup>S<sup>L</sup>EGA<sup>AP</sup>MG<sup>PT</sup>

<i>Drosophila</i> (Human)	VMN moieties	Interaction
<b>W385</b> (W103)	pyridine	pi-stacking
<b>H392</b> (R110)	nitrobenzene	pi-stacking
	urea	hydrogen bond
<b>Y396</b> (Q114)	phosphate	hydrogen bond
<b>E429</b> (E149)	ribose	hydrogen bond
<b>L432</b> (L152)	ribose	hydrogen bond
<b>R437</b> (R157)	phosphate	hydrogen bond
<b>H473</b> (H190)	ribose	hydrogen bond
<b>K476</b> (K193)	phosphate	hydrogen bond
<b>N640</b> (K361)	nitro	hydrogen bond