

Figure 3 - figure supplement 1

<i>mef2b</i>	MGRKKIQISRLDQRNRQVTFTTKRKFGLMKKAYELSVLCDCEIALIIFNSTNRLFQYAST	60
<i>mef2ca</i>	MGRKKIQIARIMDERNRQVTFTTKRKFGLMKKAYELSVLCDCEIALIIFNSTNKLFFQYAST	60
<i>mef2cb</i>	MGRKKIQITRIMDERNRQVTFTTKRKFGLMKKAYELSVLCDCEIALIIFNSTNKLFFQYAST	60
<i>mef2d</i>	MGRKKIQIQRITDERNRQVTFTTKRKFGLMKKAYELSVLCDCEIALIIFNHSNKLFFQYAST	60
<i>mef2aa</i>	MGRKKIQITRIMDERNRQVTFTTKRKFGLMKKAYELSVLCDCEIALIIFNSSNKLFFQYAST	60
<i>mef2ab</i>	MGRKKIQITRIMEERNRQVTFTTKRKFGLMKKAYELSVLCDCEIALIIFNSSNKLFFQYAST ***** ** :***** :*:*****	60
<i>mef2b</i>	DMDKVLLKYTEYSEPHESRTNTDILETLRRKGLG-LESSEIDPEDGV-T-MGAEKY---H	114
<i>mef2ca</i>	DMDKVLLKYTEYNEPHESTRNSDIVETLRKKGLNGCDSPDIDAEDSGHSPESDKYRKIN	120
<i>mef2cb</i>	DMDKVLLKYTEYNEPHESTRNSDIVEALSKKENKGGESLELESA-LALTPLTEEKYKQIN	119
<i>mef2d</i>	DMDKVLLKYTEYNEPHESTRNADIEALNKKKEHRDSESPDPEEP-FSLTPRTEEKYKKID	119
<i>mef2aa</i>	DMDKVLLKYTEYNEPHESTRNSDIVEALNKKKEHRGCDSPDPDAS-YVLTPHTEEKYKKIN	119
<i>mef2ab</i>	DMDKVLLKYTEYNEPHESTRNSDIVEVLNKKKEHRGCDSPDPDAS-YVLTPHAEKYYKQIN *****.,*****:*:*. * : * : : : : ** .	119
<i>mef2b</i>	DGMDLSLARQRYYAPSLHSEV-----INTSAENGYI-----NSSNP	152
<i>mef2ca</i>	EDIDLMSRQRLC---AIPQSNYDMPVSIIPVSNPNSLIYGHPGA-----SLGNPN	167
<i>mef2cb</i>	EEFDLMIKAQKIP---AVPSSTYDMTIPVNN-----QI-----YPGNHN	155
<i>mef2d</i>	EEFDKMMQSYRLS---STVPAPTFSMPVTVPVSNQSPLPFSNPSSLVTTSTFV-TSTLTDP	176
<i>mef2aa</i>	EEFDNMMRNHKIP---TALPPQNFSMHVAVPVTNPAMSYNPGASLSSQSLSAASLSDGA	177
<i>mef2ab</i>	EEFDNMMRNHKIP---ATLSHQSFMSPLTLPVTNPTTSLYSTNGSLDTPV-----TLSGTN : : * : : : : : .	172
<i>mef2b</i>	LGA-----HRTPSYKPLCTRPGSTG-----TVSA	176
<i>mef2ca</i>	LLPLTHPSLQRNSMSPGVTHRPPSAGNTGGDMAADLGGGAGTST-----GNGYGNH	218
<i>mef2cb</i>	LLPLAHHGLQRNSMSPGVTHRPPSAG---GLMGTDLTGAGTSAGKDGIPTYRNGYGNH	212
<i>mef2d</i>	LLSPQQPQLQRNTVSPGLPQRPASAGAL---LGDDLNS-----NGACPSPVANGYVSA	227
<i>mef2aa</i>	MLSPPQGSMHRSVV---PPQRPSTGST---A-----GNGFVNP	210
<i>mef2ab</i>	ILSLPNTLQTNTSTAGIDGMPASSEVT---L-----PNGVHSS : : . * * :	208
<i>mef2b</i>	NSHPALMGPHAGLGYSMFPHGSLSRALMKTPPP--LNMSSDGRRVEAHA---GLCGTR	230
<i>mef2ca</i>	RNSPGLLVSPG-----NMSKNLQAKSPPS--NMMSL-SRKPDLRLVLIPPGAKNTM	265
<i>mef2cb</i>	RNSPGLLVSSG-----GMNKSMAQAKSPPP--VNLGMNSRKPDLRLVLIPPGAKNNM	260
<i>mef2d</i>	RASPGLLSVSN-----GNSMGKVQAKSPPPSTQMA-NSRKPDLRVITSQSSKGLM	278
<i>mef2aa</i>	RGSPGLLGTPS-----GNGLGKVMPAKSPPPPGNMGIGSRKPDLRVVIPPSSKGM-	261
<i>mef2ab</i>	HVVGFGSGNSE-----ENSIGQVVSAKS-----STANRKLDLRLVLIPPVCKSSS . . : . . : : * : . . * : : : .	252
<i>mef2b</i>	SSLANAVR---ESTKRA-LYQS-MHAGGHMMAMGKTGLLGHGLNYSPTS-----EYSH	277
<i>mef2ca</i>	PSI-----NQRISSSQSAQSLSTPVVSVATPTLPGEVMGGYPSAINTSYGTEYSL	315
<i>mef2cb</i>	PSI-----NQRINNSQSAQSLATPVVSVATPTLPQGVMGGYPSAISTSYGTEYSL	310
<i>mef2d</i>	QLTDEEELVSENAQRLGTSQVTQPLTTPPVSVATPSSL-----TPFSMPTAYNTEYQL	332
<i>mef2aa</i>	--M---PPLN---TQRISSSQSTQPLATPVVSVTTPSLAQQL--VYSGMPTAYNSEYSL	311
<i>mef2ab</i>	SSM---PPEGDEHLRTDSSQSSQSLSTPVVSVATPSSLHPQL--VYSSMTTSTFTTGV-- * * : : : . *	305
<i>mef2b</i>	-----P--GYTVGFQRSSMNTWQPLTHQDAHQSMI-S-----	306
<i>mef2ca</i>	SSGDLSSLSAFNSSASLHLGSMTGWQP---NMQHS-----	347
<i>mef2cb</i>	SSADLSSISGFNSANTLHLGSMSGWQQHQIQINMQHS-----	346
<i>mef2d</i>	TSADLTALQAFTPSGALLPGNMTTWQQQQQPSVSVQQPQQQPSVSVQQQTQQQQQQQQQPQQ	392
<i>mef2aa</i>	SSAELSSLQGFSGPGL-SIGSVSAWQQHQ-----	339
<i>mef2ab</i>	-----	305
<i>mef2b</i>	PGMAS--GGSCSYP--SQSSSPSSPSHPSLNLSIKSERTSPVHMISP---TPPS-----H	354
<i>mef2ca</i>	--GLGHLG-NCSSAQLCQSSALSLP--SNQNLIHKEPVSPPRDRASG--TPGLYGVQP--	399
<i>mef2cb</i>	--ALSQLG-NCSSSHLCQGSNLSLP--STQSLHIKSEPVSPPRDRSSS--TPGGYGQLPSH	401
<i>mef2d</i>	LTLASLSNLVPVGTIPHGATLTVN--TNPSISIKSEPVSPPNRDRSTPSSTAGAVGVVSGL	450
<i>mef2aa</i>	LGQAALSSLVGGHLPQGSNLSIN--TSQNVNIKSEPIPPRERVTPSGFPPQ-----	390
<i>mef2ab</i>	-----	305
<i>mef2b</i>	HMLQ-----HSPIAEPKSSSCPPSDEYADLQREEAQK---SSFSGQQ---QGP	396
<i>mef2ca</i>	-----QTPLRQDSGRSPVD--SLSSCGSS--YDGSDRDEHRA---NFHSPVGLMRAA--	444
<i>mef2cb</i>	QQHQGPTSQGRQDSGRSPAD--SLSSCGSS--HEGSDRDEHRP---DFHSPLGLGRPG--	452
<i>mef2d</i>	TVSQYPGTLRLIPTGRSPVD--SISSNGSS--YEGSDRDDSGQPRPPDFSGLGLLRATGD	506
<i>mef2aa</i>	---QQQPPSGRPDMGRSPVD--SLSSSCSS--YDGSREDHRP---DFHSPLGLGRPP--	438
<i>mef2ab</i>	-----	305
<i>mef2b</i>	NRDPPETKSSPNPKQQDIS-NGWIR	420
<i>mef2ca</i>	----ENERQSPSVKRMRLSEAGWAS	465
<i>mef2cb</i>	----LDDQDSPSIKRIRLSE-GWAT	472
<i>mef2d</i>	QPAQAEQQESANVKRMRLD--TWVT	529
<i>mef2aa</i>	-AGGADERESPSVKRMRLD--TWVT	460
<i>mef2ab</i>	-----	305