## Supplementary Information

**Oligo DNAs**

EMA2-C-FW: CCGCTCTAGATTTAATCTTTCTTATGTTAATAATCGTC

EMA2-HA-C-RV: GTCGACACTAGTGGATCCAATGCAAATATTCAAAGAGTT

EMA2-F-FW: GGATCCACTAGTGTCGACTGTTTGTCTTTATCTCGTAGTC

EMA2-F-RW: GGCGCTCGAGTTCTAGGATAACTAATAGAGTGAAC

SPT6-3F-FW2-overlap :TGCTAGCGGATCCGTCGACCTCGAGTCTCTTAGTGTTTTATATAAAACAGC

SPT6-3F-RV1-KpnI:  ATTGGGTACCGGGCCCGTATCTTTAACTATCGACAAAACC

SPT6-FW1-SacII: TCCACCGCGGACTTATCACTTAAGGAAGAATATGGC

SPT6-RV2-overlap: ACTCGAGGTCGACGGATCCGCTAGCATGCTCGTTGTCATATGAACGAG

SMT3\_HA\_FW:CCTTATGATGTTCCTGATTATGCTGGTGGTTCTGGTACTGATTAAAACGC

SMT3\_HISEXT\_RV: GCTGACCGATTCAGTTCGCTCAATCAGAAAGAGCCACCAACTTGTTC

BTU1\_LCFW: AATTTTAATGCGTGTATTTATTTGGGTG

MTT1\_5UTR\_SeqRV: AGTACTCTATTATGTTTTTTCTTATACAG

EMA2-pBNMB1-FW: ATGATGTTCCTGATTATGCTGGATCCATGAGTTCACTATTTGGAAATAAGAATAA

EMA2-pBNMB1-RV:TTAGCTGACCGATTCAGTTCGCTCAACTAGTTCAAATGCAAATATTCAAAGAGTTAAGAG

SPT6\_FW\_Turbo: GATCTGGTGGTTCAGGAAGCGGATCCATGAGTAAACCAAGAAAAAACGAAG

SPT6\_RV\_Turbo: GCTGACCGATTCAGTTCGCTCAATCAATGCTCGTTGTCATATGAACGAG

SPT6\_N\_FW\_HA: GTATCCTTATGATGTTCCTGATTATGCTGGATCCATGAGTAAACCAAGAAAAAACGAAG

SPT6\_N\_RV: ATACTTTGCGCCATAATCACCTAC

SPT6\_5F\_FW: CAAATTTTTACTGGAAAAATGCAGCTAAATTATGAGACCAAACTAAG

SPT6\_5F\_RV\_HA: GCATAATCAGGAACATCATAAGGATACATTTTTCAAATATTTGCTGTGAAGACT

SPT6-KO-5F-FW: CGAATTGGGTACCGGGCCCCCCCTCGAGCATAATATCATTCTCCACTCAC

SPT6-KO-5F-RV: CAGTAAAAATTTGGATCCTATCGAATTCCTGCAGCCCTGCTTAAAAGTGCCTATGTTAGC

SPT6-KO-3F-FW: CGATAGGATCCAAATTTTTACTGGAAAAATGCAGCCCTCTCGTTCATATGACAACGAG

SPT6-KO-3F-RV: GGCGGCCGCTCTAGAACTAGTGTATCTTTAACTATCGACAAAACC

SPT6\_M249\_FW: CTTATGATGTTCCTGATTATGCTGGATCCATGTAGGGACGTAAAGCTCCTGATCC

SPT6\_M249\_RV: GTTCGCTCAATCAATGCTCGTTGTCATATGAACGAGATCTAGAGCG

M5'-3: AGGTACGATAGATCGACTGACGG

M5'-4: AATAATAAGGAACCTCTTACTGTG

M3'-3: ACTAAAATATTTATCTTCTTTTCTGC

M3'-4: ACTTTCAAAAAATTAATTTTGAGTAAAG

L8\_5'-1: ATTTGCTTTTAGGAAGAGATATCAC

L8\_5'-2: ACATACATTTGAAATATCACCAAGC

L8\_3’-1: ACAAGAAAGGTATTCATTCATTCCTC

L8\_3’-2: TGATAAAAAAGTGGTGAAAAAAGGAC

R2\_3'-1: TAATTTTAGGGCGAATCACC

R2\_3'-2: ACTCATAAATAAAATCATATCATAGTCTAG

R2\_5'-1: TTAGCAAAGTGCATTAACCTC

R2\_5'-2: TCTCTTGAAATTGGGCAAAAACTG

RPL21-FW: AAGTTGGTTATCAACTGTTGCGTT

RPL21-RV: GGGTCTTTCAAGGACGACGTA

NMC1\_f53600: GTGCAATTTTACACCGTCAGG

NMC1\_r55732: AGAATCTAACTCATAGCACTGG

**Synthetic DNAs**

>EMA2-Ec

CGATCGGGATCCATGTCTAGTTTGTTCGGTAACAAGAACAAGGAAGTTATCTTCAATTTTTGCCAAAAGTCTCAGGAAGAAGATCAAGACATGTTTGCGGACCATGAAATTCTGATTGATGAACAATTACAGTGTTTTAACTGTAACAAGTACTTTGATCCCACGAAGTACGGGATCGATTTGTTAGACGAGATGGACTTCAACAAGAATCTGGACACTTTTTGTTGTGAGAATTGTTATCTTTCGTTGCATTTTCCTTTTTATTATCAATTGGATTTATTGTTGAAAATGTCAAACCTGGAAGTGAACACGAAGTACGAATTCAACCTTGTACTGCAGGAGGAGTGCTACCAAGACAGTTGCATCCTGGGCGTGTTCTTAAGCAAGCAAAATCTGATTAATGTCTTCAAGAAACAGACGGGGAGTCATAACTTCATCTTAAACGTGAAAATGAATGGGCAAGACCCCTCCCAGGAAGGCAGTAACTTTTTTGTGATCGACTCGGATGACTTAACGCAGATGCAAAATACTTTGAACTTCGAATGTCTTAACTTTTCCTTTCAGAAATCTTTCATCTCGAACATCATCTTAATGAACGACCAACAGAAAAGTCAGCTTAAAACGGCCTCTCCGAACATCATCAGCGTAATCCTGCACTGCCGCAAAATTCGTGTCTCTGCGTATGTCGCGAAACTGTTTAAGAAGAAGTTCTTTAACTGTTTAAATCATGAAAGTTTATTCAAGGTTTTCGAGGAACAAGAGCAAAAATATAAGCAAAAAGACCAGATCCAGAAAATCAAATTACAAACCAAACAGAACTCGCTTTCAACGTCTCAAATTCATCAGTCTAGTACCCTGAACGAAATTCAGCCCAGCCAGCTTCAAACCCATAAGGAAACTTCGAACATCTCGCAAAGTAGCCAGCTTAACAAAGATTTCTGTGAAAAAAAAGAACTGACCGAGATCTATCTTCGCATTAAAAACTTTCACCAGATGTTCCCGTTCATGTACAAGAATGAGATGGTGGTTAAGATGGACGATAACGCAGTTATCCAATACCCCGCGTTTACCTACCATCACTCGCACCCCTTTGACTTACGTGATTACTGCTACCTTAACCAGGTGAATCCTACCTGGTTGTGTCCCATCTGCAACAAGCACAAGATTTTCTTGAAGGAGATCCAGCTGGATTTTTATTTGTTTGCGTTGATTCAAACACAGTATCTTAAGGACTCCTATATTTCGGACAAAATCCAGCAGATTCTTCAGTCGAAGCCACAGTTTGATTCTGAATTTTTTAGCAATCAACTGAAACAGCTGAACTTGCACTCAATGAAGGTACTGGAGCAAACACAGCAACGCACCCAGTCTAACGAGATTAAGATCCAGCAGAACTTATCCAATAAGTTGAACCAGACTAACAAGAATTTTATCCAGATCTACAAAAAGTCGAATCAGTTGGGGCAAAAAGAGAATATTCTGAAGAACAGTACTAAAATTAAGCAATTTAAGTGTAAGTCATCTATTGATCAGAATACAAATTATGAACAGCGTAACCACAAGAATGGGAATCAAAATCAAAAGTCAAAAACCTCAGAGTTTTTCAATGAAAATTTGAACTGTACTGACTTAAGCCAAGACAATTACCTGGATTTCATTCAGGATTTTGACGAATTTCAATCTTTCTTAAATCCTTACCAGAAGCAACATTCGATGCGCAATAGCAAAGATATTTCTGTACGTCATAATATGGATCAAGCTAACCTTATCGACGAGATGTCTATCCTTAACATTCAGTGCAATGAAATCGCCTCCCAAAAATCTTCAACCCGTGTTTACAGCAAATTAGTAAACAAATCTAAATCGAAGACCTCATCTTCTAACAAAGAAGAGAAGCAGAAGCAGAACGACGCATTTAAAGAAAACCAAATCGACATTGAGCAATCAGGCCAGATTATCGAAGAAAAAGTCCAAGAGAAACCGAGCTTGAACGATCAAATTGATGCTAATAAGAACATCCAGTTCTCCCAACAAATTGAGTCCTTTTCCGACCTGAGTCAGAAGTTCATCTCCCAGCAAAAAGAAGAGCGTACTCTTGAGGTTGCAAATCAATTCTACTTGGACACTTCGTTCCTTCGCTCCCCTCTTGAAATCAACGTCTTGTTTGACGTATCCTATTTGCAATTCAATAAAGAAGAGCAGGAGTATCAGTCAGTTCAGCAGATCATTCAGCTGATTGACTTCCAAGAAGACAAGCAGATGTTAGAGAAGCTTTTCAACATTGACATCCTTCAAAATCACTATTTTATTTTCAATATTTTCAATCTGAGCTATGTAAATAATCGTCAGTATCAAGACTTGCACACAATCTTAAACCAAAACCCTTCGACTAAAACTTTTTTTCAAGTCTTGATCAACGTTCAAGAGCAGTTCATCAACCTTGGTATGAGTTCAGAGTTTTATACGTTAATTTCTCAGTTCTATTATAAAGTTATGTCTAATAAGCAGCGCAATAATAAGATTTCTTACGACCTTTTGGATTCCGAAAGCCAAATTACGTCGCTTAATTATTCGCAAAACAAAAACTTTTTAGAGAAACTTATTGAATGCTTCCTGGGAATGTCGATTTTTAAGCAACTGTCCAACGAAGATGTCATTGAAAATTTCCAACAAATGGTCTTTGAATACTTATTGTTCAAGCAACAAAATATCCCGACTTTGATTAATATTCACAATATCATCATCAACTATTTTCCCAATCAATGCCTTAACTTAATCGAATCGATCAAGAAATCTTTGAATAGCCTGAACATTTGCATCTGACTCGAGCCCGGG

*>*UBC9-Ec GGCCTGGTGCCGCGCGGCAGCCATATGATGCAACAGCAGAATAAAGAAGTTAACGAACTTGTAATTACGCGCCTGAAACAGGAGCGCAAACAGTGGCGTCAGGATCATCCTCATCGTTTCGTCGCCAAACCCATGACTAAAGAAGACGGTACCATCAATATGCTTAAATGGTACTGTGAGATTCCGGGACCGGAAGGGTCACCCTGGGAGGGGGGCGTTTACATTTTATACATGGACTTTTCACAAAGCTACCCTATTAAACCCCCTAAGTGCCAATTCAAACCGGTCCTTCCTCACCCCAACGTGTATCCAAGTGGCACCGTCTGCTTATCAATCCTGAACGAAGAAGAGGACTGGAAATCTGCAATTACGATCAAACAGATTTTGATGGGAATCCAAAAGTTACTGAAGGATGAACCGAACATTGACAGCCCTGCCCAGTACGAGCCCTGTGCTTTATATCGTAGTGACAAGGAAAAATACTACAAAAAGGTACGTGAGTTTGCTGAAACTATGAAGAAGAAGGATtgagGATCCGAATTCGAGCTCCGTCGACA

>SPT6-DOL-KtoR

CCTTATGATGTTCCTGATTATGCTGGATCCATGTCTAGACCTCGTCGTAACGAGGAGGTTGATGATCAGATGAGAAACATCGGAGATGAAGAAGAAGAAGATTATCAAGGACAGGTCGAGGAAGAAGAAGATGGAAACAATCAAGTCGAGGAAGACGACGAGGAAGAAGAGGATGATGACGAACAAGACGATTACCAACAGGACGGATTTGTCGTCGGAGATAGCGAAGAAGAGGAGATAGAAGAGGAAGAAGATGAAGATGCCGAAGAGAGACGTCGTCGTAGAAGAGAACGTAGAAGACAAAGAAGATTGGAGAGACAAAACCAGCACAGAAGAATACTCAGACGTGGTCCAAGACGTCGTGAGTTGAGCGAGGATGAAATGGAGAACAATGAGATTCAAGATTTAGAAGAGTATCATGAAGACTCTGAAGAGGGTATTCCTGACCGTCGTAGAAACCAGCAGTCACGTACAGGAAACGACGGTCACCAGGGAGACAGAATGGACCTTGAGGACCAAGGTAATGAGGACTATCTTGAGGACGTTGGTGACTATGGAGCTAGATACGGAAGAACAGCCTTCGAAGAACTCTTTATGGATGATGAGTCAGGTGAAGAGGAACAGAACGAGAATGAAGACGACGAGAACCGTGAAGTAGACGACTACATCGACGTCCAACAGTTGTTCGAACCCGATGACTTGCGTAGACGTTTCGAAAGAGACGACGACCGTAGAATTCGTGAAGAGGATATACCCGAGCGTCTCCAAATCCGCATGTAGGGACGTAAAGCTCCTGATCC

>SPT6-118KR-gBlock-1

CCTGATAGAAAGAGAAATCAGTAAAGTAGAACCGGTAATGATGGTCATTAAGGAGACAAGATGGATTTAGAAGATTAAGGTAATGAAGATTACTTAGAAGATGTAGGTGATTATGGCGCAAAGTATGGAAAAACAGCCTTTGAAGAACTTTTCATGGACGATGAGTCAGGAGAAGAAGAGCAAAATGAAAACGAAGATGATGAAAATAGAGAAGTTGACGATTACATTGATGTGTAATAGCTTTTTGAACCTGATGATCTTAGAAAGCGTTTCGAGCGTGATGATGATAAAAAAATTAGAGAAGAGGATATACCTGAGCGCTTATAGATTCGTATGTAGGGACGTAGAGCTCCTGATCCAGAAGAGCTCATGGAAGAGACAAGATGGATATCAGAAAAAATTAGGACTATAAGGGATTATAGGGGTAGCAGGAGGTTGAATGATATTAATTTCCATTCAAAAATATTCTCTTTCCTCCAATCTCTACATTTGGATAAAGAAGAAGTTATGTATATCTATACATACAAGAGGAATGAATTTCATCCACAGTTTGATCTTGAAGACTTATGGAGATTATATGACTTAGATGGCGAATGGGCTCAATTCAATAGACAAAAAAATCGCATTCTATTATAAATTTAATAGCTTAGAAGAGAACTTGAGAATACTCCTCTGCTAATTTAAAATAATATAATTGATTTTGAATAAGTTAGAAGAGTTGAAGAATTTTTCCACAGAGCCATTGATACTTAATCTCTTAAGTTTATCAAGGAATACTTTGATTACCTATTTATCAAAATTTATCCTTAAAGGGAGCACTAAAGATTAAGAATTCGTAGAGACCGTAAAACTAGAATGATTAACACTTATATTTAATGTAGGGTTCATAGGTTAGTTAGTACTTTAACTCTTTCTCCTTAGGATCTCGTTAGAAACTTAGAAGAAATGAACTAAATTAATTAACCTCAATTACAACAAAATAGGCCCTAAGCCTATGCTGATAATTTAATTTCAGAAAACCCAAATGTTCCTTGTATGAGAGAAGCTATAGAGGCTTTAGAATGCATGGTTGATTATCTATCAAATGAATTATTTAACTATCCTCCCCTTAAAAGATGGTATTATGAAATGTTTAGATAAAGATGCTTAATTTCTACTGAACCCACAGATCTTGGTAGAAGGTAAATAGATATGTTCCATCCCCTATACCCAGCTAAAAGAATTCATAGACGTCCTTACACTTCTTTCACTGATGACACTTGGTTGCTCTTAGAAGAAGCTGAAAGATTGAACTTTATTACAGTTAGGATTTTCTTAAGAAGTGAAAATGATAATAACTCAGACAATAACAGCATATTTGATATTATGAGTAGAAATTACATGATCAGTTTAAGAAATTTAGAAGCTCAAATTAGACAAATTAATTCTGAATGGAATTTCTTCCGTAGATACAACATAGAAAATGTTTGTGATAGGTTTTTCTTACCT

>SPT6-118KR-gBlock-2

CATAGAAAATGTTTGTGATAGGTTTTTCTTACCTTATGCCTAGAGCTTAGTAAGAATAGAACTTCATGAAAATGCTGAAAAGTGGGTTGTATCTTAATGCTAACAAAGGTTTTACAACATGATTAATGTTGAACCTTAGAGAAATGGTAGAATAATGTCAGTTGTCCAAGACACAAATGGTAGAATAGGTGTTGTCTTTGTTGATGAAAATGGAATTCCTAATAATTCTATGATTTTGAACTACTTCACCAGGAGAGAAGACTAGCTTTCAACTAGAGCCAGACTAGAAAAAACCTAAGAAGAACATGAACTTGAAATTAGGTTTAGATCTTTTGGACCTTAATTAATTGTTGTTGCTGCCAATAGCATAGAATCTTAAAGACTTAGAAATCTACTTCATTAAAAATATGAAAGATCTTAATCTTATATTTAATATGGAGATGACACAATCCCATAAATTGTGGCTAAGTAACCTACAATTCAAGGACCAGGAAATACCTTACAATTTAGAGATTCTGTACTCAGAGTTGCTCTTTCATAAGGAAGAATACTTTTAAATCCTACTGCAGAAATACTCTCGCTTTGGAACGATAATGTTTAACAAAACGGGTGTCTTCATATCCCCCTTCATCCATCTTAAGAATATATTAGTCTTGATAAGCTCTAGTACTCACTAGAGAAATGTTGTGTTTAAATAGTCAATTTTATGGGTGTTGAAATGGATATGCTTTAAGATTAGCCTCACCTTAGACACCTTCTATAACACGTATGTGGTTTAGGACCTAGAAAGGCATTAAGGCTAATTGAGCTCTTAGAAAGAAATGCTGTAATTTTTGAAAGAGAAAGGGAAGTACCTAAAAGGAGAGGTCTATTAATTACTCAACTTGATATAAGGGATGTTGTATTCAGGAATATTAATGGTTTCATCAGATTTAGATTTTCAAAAGACCCTATTGAAAAGACTAGAATCAACAGAGATTTATACAGAATTGCAAGAAGGATTTGCAGAGACAGTGCTGATAACTTCTAAATTAGAAGCTAAAGTGATGAAGATATAGTAGAATATGTTATGAGAAATCCCAGATATATTGATGCTATGGACTTGGAAGATTATGCTTAACAGCTTGAGGAGATGAGAAATCAACCAAACATGGCTCCTGTATTAGATTTTGTCAGAGATGAGCTTATCAACCCATTTAGCTATAGAAGAAATACCTATGAAGCAATTAGCGATTAAGACTTATTCTTCAAAATGATTAGAGAAAGTCCTCAAACATTCCGTAAAGGAATGATTGTTTCAGCAAGAATCATTCAAATTAGACCTAGAGAAAATCAATAAATAAGACAACACTAACTACTTGTTAGGATTGTTGATAACGACCTAAGATCTAGCATACTTGTTAGTGAAGAGGAATCAAGGAATTATAGGGTTGGTGATATTATTAAAGCTTATGTTGATCAGATTTTTGTCCTTGACAACAGGCGC

>SPT6-118KR-gBlock-3

GATTTTTGTCCTTGACAACAGGCGCTCCAAGGATAGAATTATTGGTTTCGATGTCAATTGTGTGACTTTAACTTTTAGAGCCATCAGATTTAATGATTTAGTCAGAGAAATGAGATAATTTTAAGACTTAGATATTCTTAGTACTTTCAGGTTCATTGAAGCTGAAGACAGGCCATTGGGTATTGATGTCACTGAAAGAAGAGCTAGGAGATTCGAACCAAGAAGGATTGCTCATCCTAATTTTAGAAATATAAGTATTACAGATGCTGTAAGGCTTTTGAGGAATGCAAGAAATGGTGAATTTATTATTAGACCCAGTTCAAAAGGTAGACAATACCTTGCCATAACATGGAGATTCTTCGATGACGTGTTTGTCCACTTATCACTTAGGGAAGAATATGGCAGAGAAAGGGGGTTCTAAACGAGATATGTTTTAAATGACAGAGAATCGTTTGATAACTTTGATGAAATTATTGAAAGATATATCATTCCTTGCAATAATCACATGAACTCAGCTAGAGATAATCGTAGGTTTTCAAGAAGATCAATAGAAGAAATAGAATAGGAGCTAAGGAGAAATAGAGAAGAATAACCAGACATTATTCACTATAACTTTTGTTGTGTCCCTAGATATCCTCAATTTATCGTCTTGCTATATTGCTCTAGATAGGATTAAGTCACCAAAGAGTGGATTAAAGTTAAGTATTAGGGCTTTTATTTCCATGAAAGGTATTTTGGACAATTAAGGGATTTAATTAGATGGTTTAGAGATTGCTTCCATACTCCCGAATACAGAAGGTATGTAAAAAGAGCTGAAGAACCATATGCATCTAGGACCCCTAGCTCATTTAGTAATTAAGGAACTATTGGCATAAGATAAGAAGGTGGTGTCAGATATGAAAGATCAGAGAGAGGCATTGGAGGACAAAGATGTTAAAACTGTGGTAGATATGGTCATGCTGCTAATAACTGCAGAAATAGAAGATCCTATAATTCCTCTTCAGGATAGGGCAGTGCATCTGGAGCAAAACAATGTTTCCACTGTAGGGGTACTGACCACTTTATTAGAGACTGCCCAAATAGAACTCATCAAAGCAATAGAGGAAGTGGCGGTTTTAGCTATAGCAGAAGAGATAGAAATCAATAACACTCACGCTCTAGATCTCGTTCATATGACAACGAGCATTGATTGAGCGAAC

>SPT6-42KR-gBlock-1

CCTGATAGAAAGAGAAATCAGTAAAGTAGAACCGGTAATGATGGTCATTAAGGTGATAAGATGGATTTAGAAGATTAAGGTAATGAGGATTACTTAGAGGATGTAGGTGATTATGGCGCAAAGTATGGAAAAACAGCCTTTGAGGAGCTTTTCATGGACGATGAGTCAGGAGAGGAGGAGCAAAATGAAAACGAAGATGATGAGAATAGAGAGGTTGATGATTACATTGATGTGTAATAGCTTTTTGAGCCTGATGATCTTAGAAAGCGTTTCGAGCGTGATGATGATAAAAAAATTAGAGAAGAGGATATACCTGAGCGCTTATAGATTCGTATGTAGGGACGTAAAGCTCCTGATCCAGAGGAGCTCATGGAGGAGACAAGATGGATATCAGAGAAAATTAGGACTATAAGGGATTATAGGGGTAGCAGGAAGTTGAATGATATTAATTTCCATTCAAAAATATTCTCTTTCCTCCAATCTCTACATTTGGATAAAGAAGAGGTTATGTATATCTATACATACAAGAGGAATGAGTTTCATCCACAATTTGATCTTGAGGACTTATGGAGATTATATGACTTAGATGGCGAATGGGCTCAATTCAATAGACAAAAAAATCGCATTCTATTATAAATTTAATAGCTTAGAAGAGAGCTTGAGAATACTCCTCTGCTAATTTAAAACAACATAATTGATTTTGAGTAAGTTAGAAAAGTTGAGGAGTTTTTCCACAAAGCCATTGATACTTAATCTCTTAAGTTTATCAAGGAGTACTTTGATTACCTATTTATCAAAATTTATCCTTAAAAGGAGCACTAAAGATTAAAAATTCGTAAAGACCGTAAAACTAGAATGATTAACACTTATATTTAATGTAAGGTTCATAAGTTAGTTAGTACTTTAACTCTTTCTCCTTAGGATCTCGTTAGAAACTTAGAAGAGATGAACTAAATTAATTAACCTCAATTACAACAAAATAAGCCCTAAGCCTATGCTGATAATTTAATTTCAGAAAACCCAAATGTTCCTTGTATGAAAGAAGCTATAGAGGCTTTAGAATGCATGGTTGATTATCTATCAAATGAATTATTTAACTATCCTCCCCTTAAAAAATGGTATTATGAAATGTTTAAATAAAGATGCTTAATTTCTACTGAACCCACAGATCTTGGTAAAAAGTAAATAGATATGTTCCATCCCCTATACCCAGCTAAAAGAATTCATAAACGTCCTTACACTTCTTTCACTGATGACACTTGGTTGCTCTTAGAAGAAGCTGAAAGATTGAACTTTATTACAGTTAGGATTTTCTTAAGAAGTGAAAATGATAATAACTCAGACAATAACAGCATATTTGATATTATGAGTAAAAATTACATGATCAGTTTAAAGAATTTAGAAGCTCAAATTAGACAAATTAACTCTGAATGGAACTTCTTCCGTAAGTACAACATAGAAAATGTTTGTGATAAGTTTTTCTTACCT

>SPT6-42KR-gBlock-2

CATAGAAAATGTTTGTGATAAGTTTTTCTTACCTTATGCCTAGAGCTTAGTAAGAATAGAACTTCATGAAAATGCTGAAAAGTGGGTTGTATCTTAATGCTAACAAAAGTTTTACAACATGATTAATGTTGAACCTTAGAAAAATGGTAAAATAATGTCAGTTGTCCAAGACACAAATGGTAGAATAGGTGTTGTCTTTGTTGATGAAAATGGAATTCCTAATAATTCTATGATTTTGAACTACTTCACCAGGAGAGAAGACTAGCTTTCAACTAAAGCCAGACTAGAAAAAACCTAAGAAGAACATGAACTTGAAATTAGGTTTAAATCTTTTGGACCTTAATTAATTGTTGTTGCTGCCAATAGCATAGAATCTTAAAGACTTAGAAATCTACTTCATTAAAAATATGAAAAATCTTAATCTTATATTTAATATGGAGATGACACAATCCCATAAATTGTGGCTAAGTAACCTACAATTCAAGGACCAGGAAATACCTTACAATTTAAAGATTCTGTACTCAGAGTTGCTCTTTCATAAGGAAGAATACTTTTAAATCCTACTGCAGAAATACTCTCGCTTTGGAACGATAATGTTTAACAAAACGGGTGTCTTCATATCCCCCTTCATCCATCTTAAGAATATATTAGTCTTGATAAGCTCTAGTACTCACTAGAGAAATGTTGTGTTTAAATAGTCAATTTTATGGGTGTTGAAATGGATATGCTTTAAGATTAGCCTCACCTTAGACACCTTCTATAACACGTATGTGGTTTAGGACCTAGAAAGGCATTAAGGCTAATTGAGCTCTTAGAAAAAAATGCTGTAATTTTTGAAAGAGAAAAGGAAGTACCTAAAAGGAGAGGTCTATTAATTACTCAACTTGATATAAAGGATGTTGTATTCAAGAATATTAATGGTTTCATCAGATTTAGATTTTCAAAAGACCCTATTGAAAAGACTAGAATCAACAAAGATTTATACAAAATTGCAAGAAAGATTTGCAGAGACAGTGCTGATAACTTCTAAATTAGAAGCTAAAGTGATGAAGATATAGTAGAATATGTTATGAAAAATCCCAAATATATTGATGCTATGGACTTGGAAGATTATGCTTAACAGCTTGAGGAGATGAAAAATCAACCAAACATGGCTCCTGTATTAGATTTTGTCAGAGATGAGCTTATCAACCCATTTAGCTATAAAAGAAATACCTATGAAGCAATTAGCGATTAAGACTTATTCTTCAAAATGATTAGAGAAAGTCCTCAAACATTCCGTAAAGGAATGATTGTTTCAGCAAAAATCATTCAAATTAGACCTAGAGAAAATCAATAAATAAGACAACACTAACTACTTGTTAGGATTGTTGATAACGACCTAAGATCTAGCATACTTGTTAGTGAAGAGGAATCAAAGAATTATAAGGTTGGTGATATTATTAAAGCTTATGTTGATCAAATTTTTGTCCTTGACAACAAGCGC

>SPT6-42KR-gBlock-3

GATTTTTGTCCTTGACAACAAGCGCTCCAAGGATAAAATTATTGGTTTCGATGTCAATTGTGTGACTTTAACTTTTAAAGCCATCAAATTTAATGATTTAGTCAGAGAAATGAGATAATTTTAAGACTTAGATATTCTTAGTACTTTCAAGTTCATTGAAGCTGAAGACAGGCCATTGGGTATTGATGTCACTGAAAGAAGAGCTAGGAGATTCGAACCAAGAAAGATTGCTCATCCTAATTTTAAAAATATAAGTATTACAGATGCTGTAAGGCTTTTGAAGAATGCAAAAAATGGTGAATTTATTATTAGACCCAGTTCAAAAGGTAAACAATACCTTGCCATAACATGGAAATTCTTCGATGACGTGTTTGTCCACTTATCACTTAGGGAAGAATATGGCAAAGAAAAGGGGTTCTAAACGAAATATGTTTTAAATGACAAAGAATCGTTTGATAACTTTGATGAAATTATTGAAAGATATATCATTCCTTGCAATAATCACATGAACTCAGCTAAAGATAATCGTAAGTTTTCAAAAAAATCAATAGAAGAAATAGAATAGGAGCTAAGGAGAAATAGAGAAGAATAACCAGACATTATTCACTATAACTTTTGTTGTGTCCCTAAATATCCTCAATTTATCGTCTTGCTATATTGCTCTAAATAGGATTAAGTCACCAAAGAGTGGATTAAAGTTAAGTATTAGGGCTTTTATTTCCATGAAAAGTATTTTGGACAATTAAAGGATTTAATTAAATGGTTTAAAGATTGCTTCCATACTCCCGAATACAAAAAGTATGTAAAAAGAGCTGAAGAACCATATGCATCTAGGACCCCTAGCTCATTTAGTAATTAAGGAACTATTGGCATAAGATAAGAAGGTGGTGTCAGATATGAAAGATCAGAGAGAGGCATTGGAGGACAAAAATGTTAAAACTGTGGTAAATATGGTCATGCTGCTAATAACTGCAAAAATAAAAGATCCTATAATTCCTCTTCAGGATAGGGCAGTGCATCTGGAGCAAAACAATGTTTCCACTGTAAGGGTACTGACCACTTTATTAAAGACTGCCCAAATAAAACTCATCAAAGCAATAAAGGAAGTGGCGGTTTTAGCTATAGCAGAAGAGATAGAAATCAATAACACTCACGCTCTAGATCTCGTTCATATGACAACGAGCATTGATTGAGCGAAC